

Informe de seguimiento n°1 (Informe final)									
Referencia del informe: DLF/2014-001, Referencia OIE : 15217, Fecha del informe : 07/05/2014, País : Laos									
Resumen del informe									
Nombre de quien envía el informe		Dr Khambounheuang Bounkhouang			Teléfono		(856-21) 215 242 - 215 243		
Posición		Directeur Général			Fax		(856-21) 215 141		
Dirección		Souphanouvong rode, Department of Livestock and Fisheries , Ministry of Agriculture and Forestry Vientiane capital P.O. Box 6644			Correo electrónico		lao_dlfmaf@yahoo.com		
					Fecha de envío del informe a la OIE		07/05/2014		
Tipo de animal		Terrestres			Fecha del informe		07/05/2014		
Enfermedad		Influenza aviar altamente patógena			Fecha del inicio del evento		13/03/2014		
Agente etiológico		Virus de la influenza aviar altamente patógena			Fecha de pre-confirmación del evento		18/03/2014		
Serotipo(s)		H5N6			Fecha de la última aparición		12/2008		
Motivo		Reaparición de una enfermedad de la Lista de la OIE			Diagnóstico		Pruebas de diagnóstico de laboratorio avanzadas (ej. virología, microscopía electrónica, biología molecular e inmunología)		
País o zona		Una zona o compartimento			Signos clínicos		Sí		
Número de focos notificados		enviar= 1, Borrador= 0							
Detalles de los focos									
Province	Número de focos	District	Sub-district	Tipo de Unidad Epidemiológica	Localización	Latitud	Longitud	Fecha de inicio	Fecha de término
XAYABURY- (otro informe - enviado)	-	Xayabury		Pueblo	Nator Ngai	19.22979	101.7135	13/03/2014	31/03/2014
Especies	Unidades de medida	Susceptibles	Casos	Muertos	Destruídos	Sacrificados			
Aves	Animales	5142	457	457	543	0			
Población afectada	Las aves afectadas habían sido introducidas en el pueblo una semana antes del brote.								
Resumen de focos: Número total de focos = 1 (Enviar)									
Especies	Susceptibles		Casos		Muertos		Destruídos		Sacrificados
Aves	5142		457		457		543		0
Epidemiología									
Otros detalles epidemiológicos / comentarios									
Las muestras de este brote han sido analizadas por el Laboratorio australiano de sanidad animal. La secuenciación de las muestras originales (tejidos post-mortem) tomadas en pollos y en patos demuestra que se trata de virus H5N6 de la influenza aviar altamente patógena, con secuencia altamente patógena del sitio de corte de la HA: PLRERRRKR*GLF. El análisis filogenético de la secuencia del gen de la HA indica que la HA se deriva del gen del linaje asiático H5N1 de clado 2.3.4; sin embargo, se agrupan con variantes (recombinantes) de virus de la influenza aviar altamente patógena H5 de clado 2.3.4 de China de diversos subtipos NA. La secuenciación de seguimiento de los virus aislados en estas muestras confirma estas conclusiones. Se ha completado la secuenciación completa del genoma.									
Fuente del o de los focos u origen de la infección									
• Introducción de nuevos animales vivos									
Medidas implementadas									
Implementada					Para ser implementada				
• cuarentena • restricción de los movimientos en el interior del país • tamizaje • desinfección de áreas infectadas • sacrificio sanitario parcial					• ninguna medida de control programada				
Animales tratados					Vacunación prohibida				
No					Sí				
Informes futuros									
Todos los focos de este informe han sido resueltos.									

Mapa de focos

