

## Informe de seguimiento n°9 (Informe final)

Referencia del informe: , Referencia OIE : 17937, Fecha del informe : 16/06/2015, País : Estados Unidos de América

### Resumen del informe

<b>Nombre de quien envía el informe</b>	Dr John Clifford	<b>Teléfono</b>	(1-202) 799-7146
<b>Posición</b>	Deputy Administrator	<b>Fax</b>	(1-202) 799-7146
<b>Dirección</b>	Room # 317-E Jamie L. Whitten Federal Building 1400 Independence Ave, SW Washington, DC 20250 Washington 20250	<b>Correo electrónico</b>	John.Clifford@aphis.usda.gov
		<b>Fecha de envío del informe a la OIE</b>	16/06/2015

<b>Tipo de animal</b>	Terrestres	<b>Fecha del informe</b>	16/06/2015
<b>Enfermedad</b>	Influenza aviar altamente patógena	<b>Fecha del inicio del evento</b>	16/01/2015
<b>Agente etiológico</b>	Virus de la influenza aviar altamente patógena	<b>Fecha de confirmación del evento</b>	16/01/2015
<b>Serotipo(s)</b>	H5N1	<b>Fecha de la última aparición</b>	2004
<b>Motivo</b>	Reaparición de una enfermedad de la Lista de la OIE	<b>Diagnóstico</b>	Pruebas de diagnóstico de laboratorio avanzadas (ej. virología, microscopía electrónica, biología molecular e inmunología)
<b>País o zona</b>	Una zona o compartimento	<b>Signos clínicos</b>	No
<b>Número de focos notificados</b>	enviar= 2, Borrador= 0		

### Detalles de los focos

State	Número de focos	County		Tipo de Unidad Epidemiológica	Localización	Latitud	Longitud	Fecha de inicio	Fecha de término
WASHINGTON- (otro informe - enviado)	-	Whatcom		No aplicable	Condado de Whatcom	48.796	-121.866	16/01/2015	15/04/2015
<b>Especies</b>	<b>Unidades de medida</b>	<b>Susceptibles</b>	<b>Casos</b>	<b>Muertos</b>	<b>Destruídos</b>	<b>Sacrificados</b>			
Cerceta americana: Anatidae(Anas carolinensis)	Animales	...	...	...	...	...			
<b>Población afectada</b>	Cerceta americana silvestre								

State	Número de focos	County		Tipo de Unidad Epidemiológica	Localización	Latitud	Longitud	Fecha de inicio	Fecha de término
WASHINGTON- (otro informe - enviado)	-	Whatcom		No aplicable	Condado de Whatcom	48.9131	-122.5976	05/03/2015	05/06/2015
<b>Especies</b>	<b>Unidades de medida</b>	<b>Susceptibles</b>	<b>Casos</b>	<b>Muertos</b>	<b>Destruídos</b>	<b>Sacrificados</b>			
Anade Rabudo: Anatidae(Anas americana)	Animales	...	...	...	...	...			
<b>Población afectada</b>	Vigilancia de las aves silvestres								

### Resumen de focos: Número total de focos = 2 (Enviar)

Especies	Susceptibles	Casos	Muertos	Destruídos	Sacrificados
Cerceta americana					
Anade Rabudo					

### Epidemiología

#### Otros detalles epidemiológicos / comentarios

Como parte de la intensificación de la vigilancia para la influenza aviar en las aves silvestres (realizada analizando las aves recolectadas por los cazadores), a principios de 2015 se identificó un nuevo virus recombinante H5N1 euroasiático/norteamericano clado 2.3.4.4 en un condado en el Estado de Washington. Este subtipo H5N1 es diferente de la cepa que circula en Asia. La constelación genética es la siguiente: genes del linaje euroasiático (PB2, H5, NP, MP > 99% idénticos a A/gyrfalcon/WA/41088/2014 H5N8); genes del linaje norteamericano (PB1 {98% idéntico a A/Northern pintail/Washington/40964/2014 H5N2}, PA, N1, NS del linaje de la influenza aviar levemente patógena norteamericana en aves silvestres. El sitio de clivaje HA es compatible con cepas que son altamente patógenas.

Durante la vigilancia intensificada requerida de la influenza aviar altamente patógena llevada a cabo en Estados Unidos de América, no se ha realizado ninguna otra detección de este nuevo virus recombinante H5N1 euroasiático/norteamericano de la influenza aviar altamente patógena. No se ha detectado este nuevo virus recombinante H5N1 euroasiático/norteamericano de la influenza aviar altamente patógena en aves de corral, comerciales o de traspatio, en ningún lugar de los Estados Unidos.

Este evento relativo a una detección limitada de este nuevo virus recombinante H5N1 euroasiático/norteamericano de la influenza aviar altamente patógena se considera resuelto.

**Otros detalles epidemiológicos / comentarios**

Como parte de la intensificación de la vigilancia para la influenza aviar en las aves silvestres (realizada analizando las aves recolectadas por los cazadores), a principios de 2015 se identificó un nuevo virus recombinante H5N1 euroasiático/norteamericano clado 2.3.4.4 en un condado en el Estado de Washington. Este subtipo H5N1 es diferente de la cepa que circula en Asia. La constelación genética es la siguiente: genes del linaje euroasiático (PB2, H5, NP, MP > 99% idénticos a A/gyrfalcon/WA/41088/2014 H5N8); genes del linaje norteamericano (PB1 {98% idéntico a A/Northern pintail/Washington/40964/2014 H5N2}, PA, N1, NS del linaje de la influenza aviar levemente patógena norteamericana en aves silvestres. El sitio de clivaje HA es compatible con cepas que son altamente patógenas. Durante la vigilancia intensificada requerida de la influenza aviar altamente patógena llevada a cabo en Estados Unidos de América, no se ha realizado ninguna otra detección de este nuevo virus recombinante H5N1 euroasiático/norteamericano de la influenza aviar altamente patógena. No se ha detectado este nuevo virus recombinante H5N1 euroasiático/norteamericano de la influenza aviar altamente patógena en aves de corral, comerciales o de traspatio, en ningún lugar de los Estados Unidos. Este evento relativo a una detección limitada de este nuevo virus recombinante H5N1 euroasiático/norteamericano de la influenza aviar altamente patógena se considera resuelto.

• Contacto con animales silvestres

**Fuente del o de los focos u origen de la infección**

• Contacto con animales silvestres

**Medidas implementadas**

Ninguna medida de control

**Animales tratados**

No

**Vacunación prohibida**

Sí

**Informes futuros**

Todos los focos de este informe han sido resueltos.

## Mapa de focos

