

Informe de notificación inmediata

Referencia del informe: REF OIE 21641, Fecha del informe: 23/11/2016, País : Rusia

Resumen del informe

Nombre de quien envía el informe	Dr Evgeny Nepoklonov	Teléfono	+7 (499) 975 16 23
Posición	Deputy Head	Fax	+7 (495) 607 84 51
Dirección	Orlikov Per., 1/11 107139, Moscow, Russian Federation Moscow	Correo electrónico	nepoklonov@gmail.com
		Fecha de envío del informe a la OIE	23/11/2016

Tipo de animal	Terrestres	Fecha del informe	23/11/2016
Enfermedad	Influenza aviar altamente patógena	Fecha del inicio del evento	07/11/2016
Agente etiológico	Virus de la influenza aviar altamente patógena	Fecha de confirmación del evento	17/11/2016
Serotipo(s)	H5	Fecha de la última aparición	15/06/2016
Motivo	Reaparición de una enfermedad de la Lista de la OIE	Diagnóstico	Pruebas básicas de laboratorio (ej. parasitología, bacteriología, micología, histopatología), Pruebas de diagnóstico de laboratorio avanzadas (ej. virología, microscopía electrónica, biología molecular e inmunología)
País o zona	Una zona o compartimento	Signos clínicos	Sí
Número de focos notificados	enviado= 2, Borrador= 0		

Detalles de los focos

Province	Número de focos	District	Sub-district	Tipo de Unidad Epidemiológica	Localización	Latitud	Longitud	Fecha de inicio	Fecha de término
REPUBLIKA KALMYKIYA- (este informe - enviado)	-	Yashaltinsky		Pueblo	Oktyabr'sky	46.175	42.795	07/11/2016	
Especies	Unidades de medida	Susceptibles	Casos	Muertos	Destruídos	Sacrificados			
Aves	Animales	81	42	42	...	0			
Población afectada	Aves domésticas								

Province	Número de focos	District	Sub-district	Tipo de Unidad Epidemiológica	Localización	Latitud	Longitud	Fecha de inicio	Fecha de término
REPUBLIKA KALMYKIYA- (este informe - enviado)	-	Yashaltinsky		Traspatio	Solenoe	46.22	42.543	07/11/2016	
Especies	Unidades de medida	Susceptibles	Casos	Muertos	Destruídos	Sacrificados			
Aves	Animales	122	95	95	...	0			
Población afectada	Aves domésticas								

Resumen de focos: Número total de focos = 2 (Enviado)

Especies	Susceptibles	Casos	Muertos	Destruídos	Sacrificados
Aves	203	137	137		0

Epidemiología

Otros detalles epidemiológicos / comentarios

Se ha detectado en cuatro muestras tomadas en carcasas de aves domésticas (ganso, gallina, pintada) el genoma del virus H5 de la influenza aviar. La secuenciación de los virus aislados ha mostrado que pertenecían al linaje asiático del virus H5 de la influenza aviar altamente patógena A/Guandong/1/96, clado 2.3.4.4.

Fuente del o de los focos u origen de la infección

• Desconocida o no concluyente

Medidas implementadas

Implementada	Para ser implementada
--------------	-----------------------

Implementada	Para ser implementada
<ul style="list-style-type: none">• control de fauna silvestre reservorio de agentes patógenos• cuarentena• restricción de los movimientos en el interior del país• tamizaje• desinfección de áreas infectadas• eliminación oficial de canales, subproductos y desechos de origen animal	<ul style="list-style-type: none">• sacrificio sanitario
Animales tratados	Vacunación prohibida
No	No

Resultados de las pruebas diagnósticas

Tipo de laboratorio	Nombre del laboratorio	Especies	Tipo de prueba	Fecha de entrega de los resultados	Resultados
Laboratorio nacional	Instituto federal de investigación para la sanidad animal (FGBI-ARRIAH)	Aves	secuenciación del gen	23/11/2016	Positivo
Laboratorio nacional	Instituto federal de investigación para la sanidad animal (FGBI-ARRIAH)	Aves	RT-PCR (técnica de la reacción en cadena de la polimerasa con transcriptasa reversa)	23/11/2016	Positivo
Laboratorio local	Laboratorio veterinario de Stávropol	Aves	PCR (reacción en cadena de la polimerasa)	17/11/2016	Positivo

Informes futuros

El episodio continúa. Informes de seguimiento semanales serán enviados
--

Mapa de focos

