

86 SG/13/GT

Original: Inglés
Diciembre de 2017

INFORME DE LA REUNIÓN DEL GRUPO DE TRABAJO DE LA OIE SOBRE LA FAUNA SILVESTRE

París (Francia), 12 – 15 de diciembre de 2017

1. Introducción

El Grupo de Trabajo sobre la Fauna Silvestre de la OIE (el Grupo de Trabajo) se reunió del 12 al 15 de diciembre de 2017 en la sede de la OIE en París, Francia. Presidió la reunión el Dr. William Karesh.

El Dr. Matthew Stone, Director General adjunto de la OIE, dio la bienvenida a los participantes. Subrayó la importancia fundamental para la OIE de poder contar con expertos externos a la OIE sobre temas que examina el mandato de la organización, en particular la fauna silvestre. Mencionó que los Grupos de Trabajo sobre Bienestar de los Animales y Seguridad de los Alimentos de Origen Natural se habían paralizado pero que el Grupo de Trabajo sobre Fauna Silvestre continuará con nuevos términos de referencia. Dichos nuevos términos de referencia han sido desarrollados en la sede de la OIE teniendo en consideración los comentarios realizados por el Grupo de Trabajo sobre Fauna Silvestre. Se han ampliado las actividades del Grupo de Trabajo sobre biodiversidad e impacto del cambio climático en la sanidad animal. El Consejo ha expresado su apoyo a dichas actividades que serán propuestas para su adopción en la próxima Sesión General mediante el voto de la Asamblea Mundial de Delegados.

2. Aprobación del orden del día y designación del relator

El Prof. Ted Leighton fue nombrado relator de la sesión. El orden del día y la lista completa de participantes figuran en los Anexos I y II, respectivamente.

3. Información proveniente de las reuniones de la Comisión Científica para las Enfermedades de los Animales y de la Comisión del Código Sanitario para los Animales Terrestres

El Grupo de Trabajo ha aportado información y ofrecido una guía de trabajo proveniente de las reuniones de la Comisión Científica que tuvieron lugar en febrero y septiembre de 2017. La Comisión Científica recomendó a la Comisión del Código que considerara la posibilidad de incluir la *Vespa velutina*. La Comisión del Código sugirió que se considerara como una especie exótica invasora. La Unión Internacional para la Conservación de la Naturaleza (IUCN, por sus siglas inglés) puede abordar esta problemática para incluirla entre las especies exóticas invasoras, posiblemente con la participación de la OIE.

La Comisión ha decidido posponer el debate sobre la Vacunación de Animales de Alto Valor de Conservación a su próxima reunión en febrero de 2018. El Grupo de Trabajo resaltó la importancia de esta cuestión y recomendó que se compartiera el documento de reflexión sobre Vacunación de Animales de Alto Valor de Conservación con el Grupo *ad hoc* sobre la influenza aviar con el fin de considerar una posible revisión del Capítulo 10.4. del *Código Sanitario para los Animales Terrestres (Código Terrestre)*.

4. Actualización de los Términos de referencia del Grupo de Trabajo para la Fauna Silvestre y debate sobre las futuras actividades del Grupo de Trabajo

El Grupo de Trabajo reconsideró la revisión propuesta de sus Términos de Referencia. El Dr. Matthew Stone y la Dra. Elisabeth Erlacher-Vindel aportaron información general para su consideración que incluía la reflexión sobre el compromiso de la OIE en cuestiones relacionadas con el cambio climático y la biodiversidad. Tanto el cambio climático como la biodiversidad serán temas de gran importancia para el Grupo de Trabajo sobre los que continuará trabajando al igual que sobre las enfermedades emergentes. El Grupo de Trabajo manifestó su acuerdo con los Términos de Referencia propuestos y confirmó su labor de asesorar a la OIE sobre las diferentes maneras para lograr un compromiso más importante en estos nuevos temas. El Grupo de Trabajo recomendó poner de relieve cómo la que la sanidad animal puede contribuir a lograr los objetivos relacionados con la biodiversidad y el clima.

El Grupo de Trabajo comenzó un debate preliminar sobre los impactos del cambio climático en la sanidad animal, en particular en lo referente a la fauna silvestre. Se desarrolló una lista inicial de indicadores que podría señalar efectos relacionados con el cambio climático:

1. Cambios en el tamaño de la población y en la distribución geográfica (incluido el cambio altitudinal).
2. Alteración del comportamiento de alimentación de la fauna silvestre.
3. Alteración de la fauna microbiana (incluida la nueva) que normalmente vive en especies determinadas (incluidos los agentes microbianos de potencial zoonótico).
4. Incremento de la prevalencia de enfermedades que anteriormente eran de prevalencia baja, este último punto como indicador de los puntos anteriores,
5. Cambio en la secuenciación de los diferentes eventos de la historia vital. Por ejemplo:
 - Alteraciones en la época de cría: ciertas especies comienzan el apareamiento más temprano o más tarde de lo habitual, lo que podría alterar las dinámicas de los hospedadores-patógenos (p. ej., Influenza Aviar).
 - Modificación de la extensión de migración de las especies migratorias, lo que podría alterar la frecuencia de las épocas de cría.
 - Mortalidad masiva como consecuencia del estrés térmico o de oxígeno, hambruna y/o incremento de la incidencia de infecciones oportunistas.
 - Manifestación (dependiendo de la temperatura) de la enfermedad debida a la sensibilidad patógena a las condiciones medioambientales.
 - La supervivencia de portadores (garrapatas/moscas picadoras, etc.) como consecuencia de inviernos más suaves y desplazamientos más amplios (que se producen naturalmente o con la ayuda del hombre) de los animales domésticos y salvajes.

El Grupo de Trabajo examinará esta lista más a fondo durante el próximo año.

5. Notificación de enfermedades

5.1. Notificación de enfermedades de 2016

El Dr. Paolo Tizzani, del Departamento de Información y Análisis de Sanidad Animal Mundial (WAHIAD, por sus siglas en inglés), presentó la información sobre la notificación de enfermedades en WAHIS-*Wild*, subrayando la tendencia decreciente de notificaciones entre 2012 (71 países) y 2016 (29 países). El Grupo de Trabajo expresó su profunda preocupación por esta disminución de las notificaciones.

5.2. Identificación de los aspectos decisivos

El Dr. Tizzani presentó los aspectos fundamentales que pueden interferir en la notificación de las enfermedades de la fauna silvestre. En particular, identificó los siguientes problemas:

- Falta de comunicación entre la OIE y los Puntos Focales Nacionales (PF) para la fauna salvaje;
- Problemas de los PF para la fauna salvaje para acceder al WAHIS y falta de una red de contacto entre los PF para la fauna salvaje y los PF de Notificación de Enfermedad Animal a la OIE;
- Dificultad por parte de los PF para la fauna salvaje para cumplimentar las notificaciones WAHIS-*Wild online*.

5.3. Propuestas para la mejora de las notificaciones

Con el fin de aportar una solución a estos problemas esenciales, el WAHIAD, el Departamento de Ciencia y Nuevas Tecnologías de la OIE (SNTD, por sus siglas en inglés), así como el Grupo de Trabajo acordaron las siguientes medidas para aumentar las notificaciones de los PF Nacionales de la OIE para la fauna salvaje:

1. Enviar lo antes posible una carta a los PF para la fauna salvaje (con copia al Delegado) en la que se adjunte una hoja de cálculo Excel para las notificaciones e indicaciones al Delegado para crear un acceso al sistema.
2. En febrero: enviar un e-mail de recordatorio para impulsar las notificaciones de 2017. Se sugirió que dicho e-mail incluyera información somera y práctica sobre las fechas importantes de notificación de enfermedades y sobre el proceso de notificación a seguir: qué se debe notificar, cuándo se debe notificar, cómo se debe comunicar, cómo se debe interactuar, etc. El WAHIAD y el SNTD en colaboración con el Grupo de Trabajo se encargarán de la preparación de dicho documento.
3. El 3 de marzo: comunicación del SNT al PF Nacional de la OIE sobre el Día Mundial de la Vida Silvestre.
4. Junio de 2018: enviar otro recordatorio incluyendo el Informe Anual sobre la información previamente presentada. El WAHIAD y el SNTD en colaboración con el Grupo de Trabajo se encargarán de la preparación de dicho documento.
5. Noviembre de 2018: enviar el último recordatorio para presentar las notificaciones de 2017.

Asimismo, se propusieron actividades complementarias, como por ejemplo 1) realizar una formación para los PF (notificación + fauna silvestre); 2) incluir el vínculo de WAHIS-*Wild* en la futura página web de la OIE dedicada a la fauna silvestre, 3) poner a disposición pública la lista de los PF nacionales para la fauna salvaje.

5.4. Debate sobre las enfermedades de la lista de la OIE bloqueadas para la fauna silvestre y la revisión de la lista de las enfermedades que no figuran en la lista de la OIE

El Dr. Tizzani presentó la lista de las enfermedades que no figuran en la lista de la OIE cuya notificación fue bloqueada para la fauna silvestre, para que se incluyera en el informe anual sobre la vida silvestre. A continuación, el Grupo de Trabajo revisó la lista de enfermedades que debían ser incluidas, eliminadas o definidas más claramente durante el próximo año (véase anexo III).

El Grupo de Trabajo subrayó la necesidad de incluir agentes que no se notifican a la OIE (como por ejemplo agentes patógenos causantes de enfermedades identificados por el Grupo de Trabajo o enfermedades incluidas en la lista de la OIE cuya notificación vía WAHIS ha sido bloqueada para la fauna silvestre) en la notificación voluntaria de enfermedades en la fauna silvestre que no figuran en la lista de la OIE, entre ellas se podría citar *Lyssavirus* que no sea de rabia (lo que antes se llamaba virus clásico de rabia de genotipo 1) y proponer la consiguiente actualización de la lista.

El Grupo de Trabajo eliminó las siguientes enfermedades de la lista: Infección por Calicivirus en mamíferos marinos, Infección por *Histomonas* spp. e infección por *Batrachochytrium salamandrivorans* sp. La Infección por Calicivirus en mamíferos marinos se eliminó de la lista por su semejanza en el cuadro clínico con la fiebre aftosa. En la actualidad, gracias a modernos métodos virológicos se puede diferenciar fácil y rápidamente estos virus de los virus que causan la fiebre aftosa. Los Calicivirus Marinos no parecen presentar importantes riesgos para la salud de la fauna silvestre. La Infección por *Histomonas* spp. fue eliminada ya que en la actualidad parece revestir una importancia limitada para las aves domésticas y salvajes. Infección por *Batrachochytrium salamandrivorans* sp. fue suprimida porque la Asamblea Mundial de Delegados la incluyó en la lista de enfermedades de la OIE en mayo de 2017.

El Grupo de Trabajo añadió las siguientes enfermedades: Infección por *Ophidiomyces ophiodiicola* (el agente patológico de la micosis de la serpiente) y la Infección por morbillivirus en otros grupos taxonómicos de hospedadores. La Infección por *Ophidiomyces ophiodiicola* (el agente patológico de la micosis de la serpiente) se añadió por su naturaleza como patógeno letal emergente que se propaga tanto en una gran variedad de hospedadores como en una amplia área geográfica y fue encontrado en América del Norte y Europa en serpientes salvajes. La Infección por morbillivirus en otros grupos taxonómicos de hospedadores se añadió ya que el morbillivirus, excepto el del moquillo, la peste bovina y PPR continúan causando graves epidemias en especies silvestres y podría evolucionar a nuevos patógenos emergentes.

Además, el Grupo de Trabajo también actualizó o especificó algunas enfermedades ya incluidas en la lista. Por último, el Grupo de Trabajo consideraría en su próxima reunión junto con nuevas consultas de la Comisión de Normas sobre Sanidad de Animales Acuáticos añadir patógenos graves de corales.

5.5. Aprobación de nuevas especies en WAHIS

Tras la presentación del Dr. Tizzani de una tabla con las especies añadidas en 2017 (N=5), el Grupo de Trabajo procedió a su corrección y aprobación.

5.6. Actualización en WAHIS +

El Dr. Tizzani realizó una rápida presentación de las nuevas mejoras esperadas para WAHIS + y sobre los posibles cambios/repercusiones para el informe anual de fauna silvestre. El Grupo de Trabajo aportó su opinión basándose en anteriores experiencias sobre: 1) Integrar diferentes bases de datos es muy difícil; 2) Sería de mayor utilidad ofrecer buenas herramientas de extracción y esperar que gran cantidad de análisis de datos se realicen fuera de la plataforma WAHIS.

6. Incidencias de problemas y enfermedades emergentes dignas de consideración: informes de los miembros del Grupo de Trabajo sobre fauna silvestre

ÁFRICA

Peste porcina africana: la Peste Porcina Africana es una infección endémica y silenciosa de la mayoría de los porcinos silvestres autóctonos del África subsahariana. Se notificaron brotes significativos de la Peste Porcina Africana en cerdos domésticos en Zambia, Costa de Marfil y Nigeria. El origen de estos brotes infecciosos se encontraba probablemente en las garrapatas infectadas y en los suidos silvestres autóctonos. A partir de ahí, la transmisión de cerdo a cerdo pasó a ser un contagio entre manadas y entre granjas porcinas.

Ántrax: se notificó un brote importante de ántrax en el Parque Nacional Bwabata de Namibia a consecuencia del cual murieron más de 150 hipopótamos (*Hippopotamus amphibius*) y algunos búfalos africanos (*Syncerus caffer*). También se notificó la muerte de un pequeño número de elefantes (*Loxodonta africana*). Los cadáveres de hipopótamo flotando por el río Okavango se consideraron una amenaza para la salud de las poblaciones humanas indígenas así como para el ganado en el curso bajo del río en Botsuana, por lo que se recomendó a la población no manipular ni comer la carne de dichos cadáveres y se realizó un gran esfuerzo para vararlos y enterrarlos. En Namibia, en el desierto del Namib, también murió uno de los leones del desierto (*Panthera leo*) a consecuencia del ántrax. Afortunadamente, el brote se redujo a una pequeña sección del río Okavango –más concretamente una laguna cuya densidad de hipopótamos era muy alta. Este brote no se propagó mucho más allá de esta zona y a principios del mes de diciembre no se registró ninguna muerte más de hipopótamos. En la zona norte del Parque Nacional de Chobe, en Botsuana, se notificaron las muertes de hipopótamos y algunos elefantes a finales de diciembre de 2017 en el sistema Linyanthi (este del sistema Okavango), supuestamente, estas muertes también serían a consecuencia del ántrax (diagnóstico sin confirmar). Los cadáveres de los hipopótamos a los que se pudo acceder fueron enterrados.

Otro brote significativo de ántrax tuvo lugar en Tanzania, principalmente en las regiones de Arusha y Kilimanjaro. Dicho brote afectó a hipopótamos, elefantes, cebras (*Equus burchelli*), ñus (*Connochaetes taurinus*) y varias gacelas. También se registraron muertes de ganado, por lo que se llevó a cabo una campaña de vacunación para proteger el ganado Masai. Un segundo brote de ántrax afectó principalmente a los hipopótamos del Parque Nacional Ruaha en Tanzania.

En Mozambique se registraron tres brotes de ántrax en la fauna silvestre (Parque Nacional Limpopo y concesiones privadas en la frontera con el Parque Nacional Kruger en Mozambique sur del Parque Nacional Limpopo) que afectaron a elefantes, leones, búfalos y grandes kudús (*Tragelaphus strepsiceros*).

Se notificaron brotes esporádicos de ántrax en animales domésticos y silvestres en Burkina Faso (animales domésticos), Zambia (Provincia Occidental – animales domésticos) y Zimbabue (Matabelelandia Septentrional – hipopótamos).

En Tanzania, Zambia y Zimbabue se notificaron también numerosos casos en humanos tras la manipulación o ingesta de carne de los cadáveres del ganado o de los hipopótamos.

Se confirmó que una forma inusual de ántrax por *Bacillus cereus* fue la causa de la muerte de grandes primates no humanos en las selvas africanas tropicales occidentales de Costa de Marfil.

Influenza Aviar: se notificaron brotes significativos de Influenza Aviar causados por el virus H5N8 en Sudáfrica. La primera notificación (junio de 2017) refería a las aves de corral en la Provincia de Mpumalanga, pero posteriormente la enfermedad se extendió a las aves de corral de la Provincia de Gauteng (julio de 2017). En agosto de 2017, se detectó una infección por H5N8 en granjas de avestruces en la región sudafricana del Cabo Occidental y en aves de corral comerciales y aves silvestres. La propagación también llegó a la Provincia del Cabo Oriental y en septiembre a la región del noreste. La infestación llegó hasta “The World of Birds”, el mayor parque de aves de África situado en Ciudad del Cabo. En total se registraron 28 brotes.

Tuberculosis bovina: se confirmaron los primeros casos de tuberculosis bovina (TBb) en rinocerontes blancos (*Ceratotherium simum*) y rinocerontes negros (*Diceros bicornis*) en el Parque Nacional Kruger, Sudáfrica. Lo que demuestra una vez más que cuando un hospedador de mantenimiento de TBb, como en este caso el búfalo, está presente en un ecosistema, la infección se puede propagar a hospedadores accidentales simpáticos de otras especies. Se diagnosticaron todos los casos después de que el rinoceronte muriera por otras causas – principalmente por la sequía o a causa de la caza furtiva, además el rinoceronte blanco presentaba pequeñas lesiones accidentales. El rinoceronte negro presentaba lesiones más importantes, mostraba signos de infección y se encontraba en mal estado a consecuencia de la sequía de aquel momento. Aun así, la medida tomada tras el diagnóstico fue la restricción de los desplazamientos de los rinocerontes fuera del Parque Nacional Kruger hasta que se pueda desarrollar un protocolo de pruebas para la TBb en rinocerontes, lo que supone que un número inferior de rinocerontes pueda trasladarse a lugares más seguros ya que la caza furtiva del rinoceronte en esa región alcanza niveles significativos.

En 2016, un elefante-toro murió en condiciones de desnutrición en el Parque Nacional Kruger y el diagnóstico fue tuberculosis bovina humana. Este es el primer caso registrado de tuberculosis humana en un elefante africano salvaje y no se pudo establecer el foco de la infección. Probablemente, el elefante entró en contacto con desechos humanos o con comida contaminada en uno de los lugares reservados para el picnic en la zona meridional del Parque Nacional Kruger.

Peste bubónica: la peste bubónica se transmite de los animales salvajes (roedores) al humano a través de las pulgas. Aunque la peste es endémica en Madagascar, esta temporada no ha sido característica ya que comenzó un mes antes de lo habitual, su forma predominante ha sido la neumónica y ha afectado principalmente a los grandes núcleos urbanos de Madagascar (Antananarivo, Toamasina, Fianarantsoa y Antsirabe). Muchas de las áreas afectadas carecen de experiencia de la enfermedad lo que supone una dificultad añadida a las ya existentes para controlar la epidemia en las áreas urbanas.

El número total de casos (2348) es cinco veces superior al promedio total anual de 400 casos (de septiembre a abril). La propagación de la peste neumónica en áreas urbanas de alta densidad se produce más rápidamente con el consiguiente riesgo de una epidemia a gran escala, mientras tanto la implementación de soluciones sanitarias y no sanitarias se enfrenta con problemas de acceso (dificultad en el seguimiento de contactos, especialmente en barrios marginales) y de alta movilidad de la población. Antananarivo, la capital y centro neurálgico comercial y de transporte del país, ha sido la ciudad más afectada por la epidemia.

Fiebre hemorrágica del Congo y de Crimea: se notificaron dos casos de fiebre hemorrágica del Congo y Crimea en la provincia del Cabo Occidental y Cabo Septentrional de Sudáfrica. Ambas víctimas eran ganaderos y se recuperaron de la infección. En Namibia, se notificaron tres casos de fiebre hemorrágica del Congo y Crimea en trabajadores de granjas, dos de los cuales fueron fatales. En todos los casos las víctimas presentaban picaduras de garrapatas. Las garrapatas tropicales (*Hyalomma* spp) son las responsables de transmitir la fiebre hemorrágica del Congo y de Crimea de los animales silvestres o del ganado a los humanos. También se puede contagiar a los humanos por contacto con tejidos o fluidos corporales de los animales infectados.

Fiebre aftosa: se notificaron brotes de fiebre aftosa en bovinos de diferentes países africanos. En abril de 2017, Argelia notificó un brote de fiebre aftosa en bovino causado por el virus de serotipo SAT1. En Sudáfrica, se notificaron brotes de fiebre aftosa en bovinos en la Provincia Mpumalanga y en la Provincia Limpopo, colindantes con la fiebre aftosa endémica del Parque Nacional Kruger. Se aisló el serotipo SAT1. En julio, un brote atípico se notificó en bovino en la Provincia Zambezi, en Zimbabue. Botsuana donó vacunas para ayudar a controlar estos brotes. En agosto, un brote de fiebre aftosa se notificó en bovino cercano al Parque Nacional Lengwe de Malawi. En septiembre, un virus atípico causó un brote de fiebre aftosa en bovino en Ngamiland, Botsuana.

La mayoría de estos brotes en el África subsahariana se asociaron con el contacto con el búfalo endémicamente infectado, aunque el brote en Ngamiland, Botsuana, se encontraba al menos a 130 km del búfalo más cercano sin que exista evidencia alguna de contacto con animales silvestres por lo que podría haber sido un contagio entre bovinos.

Fiebre de Lassa: se han producido brotes de fiebre de Lassa en 16 estados de Nigeria (África Occidental). Entre diciembre de 2016 y abril de 2017, se notificaron 164 nuevos casos, 149 de los cuales fueron confirmados. El 28 de abril, se habían producido 68 víctimas mortales y se siguieron notificando otros casos esporádicos a lo largo de todo el año. Los roedores (*Mastomys* spp.) transmiten el virus de la fiebre de Lassa, así pues para controlar esta enfermedad, las medidas adoptadas se han centrado en controlar los roedores en las aldeas y poblados.

Fiebre Hemorrágica de Malburgo: se ha notificado un brote de fiebre hemorrágica de Marburgo en el distrito Kween en el este de Uganda. Se ha dicho que se han producido varias muertes de humanos. Se sabe que los murciélagos frugívoros de Egipto y los monos verdes africanos son los portadores del virus. Estos brotes esporádicos de fiebre hemorrágica de Marburgo pueden estar relacionados con el comercio de carne de caza.

Infección por el virus MERS-Co: a partir del lunes 20 de noviembre de 2017, un total de 1743 laboratorios confirmaron que se habían documentado casos de infección por el virus MERS-Co en Arabia Saudí y en áreas aledañas a Oriente Medio. Como consecuencia de estas infecciones, se notificaron 705 muertes que arrojaban un porcentaje de mortalidad del 40,4 %. El agente etiológico es un coronavirus que circula en camellos, de hecho muchas de las víctimas afirman haber tenido contacto directo con camellos.

Viruela símica: se diagnosticaron 20 casos humanos de viruela símica (tres de ellos mortales) en la región norte de la República Democrática del Congo (RDC) durante el mes de marzo y el mes de abril de 2017. A finales del mes de mayo de 2017, se notificaron un total de 78 casos en la RDC y otros tres casos más en la República Centroafricana.

Se produjo otro brote de viruela símica en Nigeria en octubre de 2017, un total de 94 casos fueron notificados en 11 estados del país.

El clado del virus de la cuenca del Congo parece ser más virulento que el clado de África Occidental (Ghana, Nigeria y Sierra Leona).

El virus de la viruela símica puede infectar a primates. La enfermedad se detectó por primera vez en monos (de ahí su nombre), pero no son ellos los hospedadores de mantenimiento del virus. Otros mamíferos que viven en los bosques, como por ejemplo las ardillas listadas (*Funisciurus* sp; un roedor arbóreo) y roedores terrestres de los géneros *Cricetomys* y *Graphiurus* parecen ser los hospedadores de mantenimiento y son la fuente más probable de la infección. Los humanos se infectaron por mordeduras o por contacto con tejidos de animales infectados, de ahí que la carne de animales silvestres pueda ser una fuente importante de infección.

Fiebre del valle del Rift: en Níger, casos de enfermedad y mortalidad humana inexplicadas, junto con abortos y muertes de ganado, condujeron a diagnosticar la fiebre del valle del Rift (FVR). La enfermedad se ha propagado extensivamente al asociarse con las actividades de los ganadores y pastores nómadas. Se han diagnosticado 240 casos humanos, 32 de ellos víctimas mortales.

En Uganda, se notificaron dos víctimas mortales de humanos a causa de la fiebre del valle del Rift.

El ciclo selvático de la fiebre del valle del Rift implica un grado de difusión bajo del virus entre los mosquitos aedinos y los rumiantes silvestres. Parece como si el mantenimiento del virus se basara en la transmisión transovárica de una hembra de mosquito aedino infectada a su óvulo resistente al medio ambiente. El ciclo epidémico implica una rápida difusión del virus entre muchos insectos hematófagos y ganado rumiante. La mayoría de las infecciones en humanos se producen por la manipulación de tejidos o por contacto con fluidos corporales del ganado infectado.

ASIA

Influenza Aviar: se produjeron diferentes brotes de influenza aviar de alta y baja patogenicidad en aves de corral y aves salvajes en diferentes países de Asia. En Indonesia, se produjeron continuamente brotes de influenza aviar. En Nepal, Bangladesh, China, Hong Kong, Taipei Chino, Rusia y Japón se notificaron casos de infecciones de alta patogenicidad en aves silvestres desde enero a noviembre de 2017.

En Taipei Chino, el control de influenza aviar se centró principalmente en los subtipos H5 y H7, y se llevó a cabo mediante la toma de muestras fecales de aves migratorias en los humedales costeros y sueros de aves de corral de las explotaciones avícolas cada año. Se controlaron la influenza aviar de alta patogenicidad (por ej. H5N2, H5N3 y H5N8) o cepas zoonóticas (por ej. H5N6) mediante el control de desplazamientos y sacrificios. Hasta la fecha, el subtipo H7N9 no se ha producido en Taipei Chino, pero el H5N2 y el H5N8 sí ha aparecido esporádicamente. El subtipo H5N6 ya se había eliminado tras 14 casos a principios de 2017.

En Corea del Sur, se encontraron 60 aves salvajes de 14 especies diferentes infectadas de influenza aviar de alta patogenicidad (subtipos H5N6 y H5N8) durante la época invernal de noviembre de 2016 a marzo de 2017. Se detectó el subtipo H5N6 en cerceta del Baikal (*Anas formosa*), ánade friso (*A. strepera*), cerceta común (*A. crecca*), ánade real (*A. platyrhynchos*), ánade picopinto (*A. poecilorhyncha*), pato mandarín (*Aix galericulata*), ánsar careto (*Anser albifrons*), búho real (*Bubo bubo*), azor común (*Accipiter gentilis*) y somormujo lavanco (*Podiceps cristatus*). Mientras que el subtipo H5N8 fue detectado en cerceta de alfanjes (*A. falcata*), cerceta americana, garza real (*Ardea cinerea*), garceta grande oriental (*Egretta alba modesta*), ánade real, pato mandarín, ánsar careto y cisne cantor (*Cygnus cygnus*).

En Japón, el último brote más importante se produjo de octubre de 2016 a abril de 2017 y fue causado por una cepa de alta patogenicidad de subtipo H5N6. Este brote afectó a aves salvajes y se registraron 210 aves muertas de 25 especies diferentes y otra ave más de una especie desconocida.

Asimismo, se observaron casos positivos en aves cautivas en zoos. En Japón, se detectó influenza aviar de alta patogenicidad de subtipo H5N6 en un cisne negro cautivo (*Cygnus atratus*) y en 2 búhos nival (*Bubo scandiacus*) que murieron en el zoo Akita Omoriyama en la prefectura de Akita en noviembre de 2016. Como medida de prevención para evitar la propagación de la gripe aviar, el zoo sacrificó 132 aves cautivas entre las que se incluyeron un cisne negro, un cisne cantor, gallinas domésticas y faisanes. El zoo permaneció cerrado del 16 de noviembre de 2016 al 28 de febrero de 2017. También se registró influenza aviar de alta patogenicidad de subtipo H5N6 en 3 cisnes negros que murieron en el zoo de Nagoya Higashiyama y en los Jardines Botánicos de la Prefectura de Nagoya en noviembre y diciembre de 2016, además de 4 barnaclas de Hutchins (*Branta hutchinsii leucopareia*) y 1 ánade real que murieron en diciembre. Se aislaron en instalaciones de bioseguridad del zoo algunas aves amenazadas. El zoo sacrificó un ánade real y 1 silbón europeo (*A. penelope*) afectados por influenza aviar de alta patogenicidad. El zoo cerró sus puertas del 11 de diciembre de 2016 al 13 de enero de 2017.

En la República de Corea, 2 cigüeñas orientales (*Ciconia boyciana*) murieron a causa de una infección por influenza aviar de alta patogenicidad de subtipo H5N6 en el zoo de Seúl en el Parque Gran Seúl el 15 de diciembre de 2016. Se sacrificaron 8 patos mandarinos, considerados en el país monumentos nacionales naturales. El zoo permaneció cerrado del 17 de diciembre de 2016 al 30 de marzo de 2017.

En India, alrededor de 15 tántalos indios (*Mycteria leucocephala*) del zoo Gwalior de Delhi murieron a consecuencia de la influenza aviar de alta patogenicidad con subtipo H5N8 en octubre de 2016. Se sacrificaron otros 12 tántalos indios.

A finales de noviembre de 2017, un brote de influenza aviar de alta patogenicidad (subtipo H5N6) afectó a aves salvajes en Corea del Sur y Japón, y se extendió más de 500 km. Este brote fue causado por una nueva variedad del virus formada por el virus H5N8 europeo del año anterior y el virus asiático H5N6. Se supuso que esta nueva variedad se produjo a consecuencia del cruce de las rutas migratorias a nivel mundial.

Moquillo: se registraron brotes mortales de moquillo en tigres en cautividad en diferentes zoos de Tailandia. También se detectó moquillo en osos, civetas y macacos en los mismos lugares. Se están investigando otras causas/patógenos que pudieran contribuir a estas muertes.

Infección por coronavirus: un brote de enfermedad diarreica letal en cerdos que comenzó en enero de 2017 en China fue causada por un coronavirus cuyo origen se atribuye a los murciélagos silvestres locales de género *Rhinolophus*.

Tularemia: en septiembre de 2016 en Australia, se detectó *Francisella tularensis* subespecie *holartica* en muestras de tejidos guardadas de falangeros de cola anillada (*Pseudocheirus peregrinus*), tras la investigación para la detección del patógeno llevada a cabo por el Australian Registry of Wildlife Health (ARWH) y la Universidad de Sídney.

Rabia: en Kazajistán, 3 casos de rabia afectaron a 25 chacales dorados (*Canis aureus*). En Nepal, 20 personas fueron mordidas por un zorro, cuya especie se desconoce, presuntamente afectado de rabia. En la región existen tres especies de zorros: zorro de Bengala (*Vulpes bengalensis*), zorro tibetano (*V. ferrilata*) y zorro rojo (*V. vulpes*).

En Taipei Chino, además de ocho casos de contagio entre los que se encuentran un perro joven mordido por un tejón turón (*Melogale moschata subaurantiaca*), una musaraña casera (*Suncus murinus*) en 2013 y seis civetas de las palmeras enmascaradas de Formosa (*Paguma larvata taiwana*) en 2014-2015, el resto de casos de rabia se han registrado en tejones turones silvestres. La estrategia actual para controlar la rabia se centra en la vacunación a gran escala de perros y gatos con el fin de contener la propagación de perros y gatos al hombre. Los casos confirmados de rabia el 15 de noviembre de 2017, se encontraron en 54 tejones turones. Según un informe existente, el virus de tejón turón taiwanés puede dividirse en dos clados por las características de la secuencia del genoma diferentes de ciertas cepas halladas en otros países de Asia y Estados Unidos. En India, se detectaron anticuerpos que neutralizan la rabia en muestras de murciélago de la fruta de nariz corta (*Cynopterus sphinx*) y en ciertos murciélagos insectívoros a principios de 2017.

Rotavirus: un nuevo rotavirus (*Reoviridae*) ha causado una alta mortalidad en palomas silvestres y cautivas (paloma bravía; *Columba livia*) en varios estados de Australia a finales de 2016. La mortalidad de las palomas silvestres se produjo en un lugar próximo a un palomar doméstico afectado, con conclusiones flagrantes e histológicas coherentes con la enfermedad encontrada en las palomas domésticas.

Salmonella enterica: el primer diagnóstico de *Salmonella enterica* serotipo Typhimurium DT160 en gorriones comunes (*Passer domesticus*) y en tórtola moteada (*Streptopelia chinensis*) se realizó en el estado australiano de Victoria (Australia continental) en 2016. La *S. enterica* serotipo Typhimurium DT160 es endémica del estado insular de Tasmania y ha sido diagnosticada en 13 casos de mortalidad que afectaron a gorriones comunes desde 2009. Aves silvestres infectadas son las fuentes potenciales de infección en humanos, animales domésticos y animales nativos así como especies de aves. La *S. enterica* serotipo Typhimurium posee un potencial zoonótico significativo y ya se han detectado casos en humanos en Australia.

Enfermedades infecciosas transmitidas por garrapatas: casos de enfermedades infecciosas transmitidas por garrapatas, como la enfermedad de Lyme, la fiebre Tsutsugamushi o la encefalitis transmitida por garrapatas, han sido controladas a nivel nacional en Japón, además los casos rickettsiosis (fiebre maculosa) han ido aumentando gradualmente. La incidencia del síndrome de fiebre aguda con trombocitopenia se ha incrementado significativamente desde 2013. Esta enfermedad infecciosa transmitida por garrapatas se ha observado principalmente en el este y sur de Japón. En 2017, una mujer falleció a consecuencia del síndrome de fiebre aguda con trombocitopenia tras una mordedura de gato, lo que supone una nueva vía de infección del síndrome de fiebre aguda con trombocitopenia, del gato doméstico al hombre. Dos guepardos también murieron a consecuencia del síndrome de fiebre aguda con trombocitopenia en el Parque Zoológico de la ciudad de Hiroshima, Japón. Este es el primer caso de síndrome de fiebre aguda con trombocitopenia en animales de zoológico así como en especies silvestres de gatos. No se detectó infección alguna en los otros dos guepardos o entre los visitantes o el personal del zoológico. Se utilizó acaricida para controlar y prevenir la enfermedad infecciosa en el zoológico y no se ha producido ninguna otra aparición.

El aumento de enfermedades transmitidas por garrapatas correlaciona con un aumento de la población de ciervo sica (*Cervus nippon*) y jabalí (*Sus scrofa leucomystax*) que son hospedadores naturales de garrapatas adultas. Con el paso del tiempo, la presión de la caza sobre estas especies ha ido decreciendo en Japón.

EUROPA

Peste porcina africana: cf. el punto 9 del temario.

Infecciones por *Batrachochytrium salamandrivorans* (Bsal): cf. el punto 10 del temario.

Tuberculosis bovina: se implementó en Francia a nivel nacional un programa de vigilancia de tuberculosis bovina en la fauna silvestre en el año 2011. Este programa combina la vigilancia específica y general en ungulados (principalmente jabalí silvestre) y tejones. En 2016-2017, un 2,2 % de los 1752 jabalíes silvestres cazados (ganglios linfáticos retromandibulares) estaban infectados por *Mycobacterium bovis* (confirmación PCR por cultivo). La mayoría de los casos positivos de jabalíes silvestres no presentaban lesiones visibles pero los cazadores notificaron lesiones similares a las de la tuberculosis bovina en tres animales cuya infección por *M. bovis* se confirmó. Además, en 2017, un 2,9 % de los 528 tejones atropellados en las carreteras dio positivo y un porcentaje similar se registró en los 1628 tejones capturados. Los casos en la fauna silvestre han sido observados en áreas en las que se ha detectado periódicamente tuberculosis bovina en los bovinos, compartiendo tanto los animales domésticos como los silvestres las mismas cepas. Se han observado, principalmente en el suroeste de Francia agrupaciones geográficas tanto de fauna silvestre como doméstica.

Brucelosis: en 2012, la población de íbice de los Alpes (*Capra ibex ibex*) en la región francesa de Bargy (Alta Saboya) se identificó como reservorio silvestre de *Brucella mellitensis* biovar 3. Hasta la actualidad, se ha mantenido la vigilancia del *B. mellitensis* en el íbice de esta región. Entre 2012 y 2015, se determinó que la estructura socioespacial del íbice ejerce una influencia determinante en la prevalencia de la enfermedad. En 2017, las autoridades locales tomaron en cuenta esta información y la gestión actual se basa en dos estrategias: probar y sacrificar (capturas) en los grupos menos infectados, así como el sacrificio específico (por disparo) en las zonas geográficas de mayor riesgo. Entre los 62 íbices capturadas en 2016 y 2017, se estimó la seroprevalencia aproximada en alrededor de 20-25 %, esta estimación requiere confirmación mediante muestreo adicional en 2018-2019.

Caquexia crónica en Escandinavia: cf. el punto 7 del temario.

Dermatitis dorsal en alces: en la segunda mitad de 2015, un amplio brote de dermatitis dorsal extensiva se observó en machos de alce en Suecia. El número de notificaciones en el 2016 fue muy bajo pero se produjo otro brote en el otoño de 2017, una vez más únicamente en el alce de la mitad meridional de Suecia. La(s) causa(s) de esta reaparición no se han esclarecido. Según los informes sobre el terreno, posiblemente estarían asociadas con la incubación masiva de moscas melófagas del ciervo (*Lipoptena cervi*) en 2015 y 2017. Sin embargo, numerosos alces infestados por la mosca melófaga del ciervo no presentaban ulceraciones dorsales. Otros factores que pueden contribuir al rascado crónico que tiene como resultado piodermatitis traumática asociada con una infección secundaria por *Staphylococcus aureus* incluyen una enfermedad infecciosa subyacente, infestación por ácaros *Chorioptes* y otros agentes infecciosos desconocidos.

Echinococcus multilocularis: se confirmó la presencia de *Echinococcus multilocularis* en chacales dorados (*Canis aureus*) en Croacia. La única notificación previa de este parásito en este país refería a los zorros rojos (*Vulpes Vulpes*) en el año 2016. Se confirmaron ambos hallazgos (en zorros y chacales) mediante secuenciación de ADN. El chacal dorado ha extendido su zona geográfica durante los últimos años y es nuevo en los países occidentales de Europa.

Virus de inmunodeficiencia felina en lince: se detectó una infección por virus de inmunodeficiencia felina (VIF) mediante análisis de Western Blot (estándar de oro) en tres linceas eurasiáticos (*Lynx lynx*) de Suiza anteriormente negativos y procedentes de la misma área geográfica. Pruebas realizadas en más de 80 linceas que se habían capturado anteriormente en Suiza no había arrojado ningún resultado positivo. La primera infección por VIF se observó en 2016, las otras dos a principios de 2017. Se desconoce el origen de la infección pero un gato doméstico que deambulaba en libertad podría haber actuado como fuente de la infección con la subsiguiente transmisión intraespecífica. Estos tres linceas positivos en virus de inmunodeficiencia felina fueron capturados para translocación y sometidos a eutanasia en cuarentena. Presentaban una amplia sintomatología clínica y lesiones en órganos atribuibles a la infección por VIF aunque también podrían ser debidos a otros factores como el estrés en cautividad. Este hallazgo es relevante para la conservación del lince, ya que Suiza es una fuente para la reintroducción y la repoblación en otros países europeos. Se continuará realizando el seguimiento del VIF, además ya se han iniciado exámenes virológicos para lograr el aislamiento y la caracterización del virus.

Influenza aviar altamente patógena: un nuevo brote de influenza aviar altamente patógena, cepa H5N8, se ha extendido por la zona central y occidental de Europa durante el otoño de 2016, probablemente a través de las aves migratorias. La epidemia se ha producido en 29 países europeos y ha sido la más importante registrada en la Unión Europea en cuanto a número de brotes en aves, extensión geográfica y número de aves silvestres muertas (especialmente en anátidas). A pesar del gran número de exposiciones humanas a las aves infectadas que tuvieron lugar durante los brotes existentes, no se ha identificado ninguna transmisión a los humanos.

En Suiza, la enfermedad se detectó por primera vez en octubre de 2016 en la región noroeste en el lago de Constanza y en una semana se extendió por todo el país hasta el lago de Ginebra. Estos dos lagos son lugares importantes de parada y descanso para las aves migratorias. El último caso positivo de la temporada de invierno se encontró el 1 de enero de 2017. Se detectaron un total de 119 aves positivas de 14 especies distintas pero gracias a las altas normas de bioseguridad y a otros factores, no se produjo la transmisión a explotaciones comerciales avícolas ni a la cría doméstica. No obstante, se volvió a detectar el virus en cisnes jóvenes y en ánades reales que se encontraron muertos en el lago Neuchâtel y en el lago de Ginebra en agosto de 2017, lo que sugiere que la cepa H5N8 podría haberse mantenido en cierta medida en aves acuáticas sanas y circular en las poblaciones locales.

En Francia, los primeros casos (aves de reclamo encontradas muertas en el norte de Francia) se detectaron el 17 de noviembre de 2016. Se reforzó la vigilancia de la mortalidad de aves acuáticas y los casos en aves acuáticas no fueron tan numerosas en Francia como en los países vecinos: 90 aves de 55 brotes. Estos casos se produjeron en diferentes localizaciones a nivel nacional con solo algunas agrupaciones observadas a lo largo del río Ródano. Se observaron numerosos brotes asociados a la misma cepa H5N8 en la ganadería del sudoeste de Francia, sorprendentemente fuera de las principales rutas migratorias o de los humedales. Se relacionaron brotes domésticos con ciertos casos observados en aves silvestres sedentarias que habitaban las mismas regiones, principalmente colúmbidas y aves rapaces. El último caso registrado en Francia en la fauna silvestre se observó en un ganso silvestre encontrado muerto el 25 de febrero de 2017 cerca del río Ródano.

En los Países Bajos, un brote de H5N8 causó una alta mortalidad entre las aves acuáticas silvestres. Gracias a una estrecha cooperación entre ornitólogos, virólogos, organizaciones para la sanidad animal y otras organizaciones implicadas en la gestión del brote H5N8 se pudo documentar que aproximadamente 13 600 aves silvestres (número considerado excesivamente bajo) de 71 especies distintas murieron; las especies más afectadas fueron el porrón moñudo (*Aythya fuligula* [39 %]) y el silbón europeo (*Anas penelope* [37 %]). Se confirmó la infección por H5N8 en 21 especies. Se mejoró considerablemente la calidad de los informes sobre las muertes de aves silvestres durante este brote de H5N8 en comparación con brotes anteriores. En general, los brotes de H5N8 en 2016-2017 en los Países Bajos se asociaron con altos índices de mortalidad sin precedentes relaciones con influenza aviar altamente patógena en muchas especies silvestres. Esto supone un cambio en el paradigma de aves silvestres como agentes no afectados por los virus de influenza aviar altamente patógena, junto con la creciente preocupación sobre los efectos potenciales en sus poblaciones. Los Países Bajos y otras zonas importantes de descanso para las aves acuáticas migratorias en toda Eurasia que se han visto afectados por brotes de H5N8 en 2016-2017 corren el riesgo de registrar numerosas muertes de aves en futuros brotes de influenza aviar altamente patógena.

***Klebsiella pneumoniae* subespecie *pneumoniae* en focas:** *Klebsiella pneumoniae* subespecie *pneumoniae* (Kpp) se aisló en tres focas comunes jóvenes que vivían en libertad (*Phoca vitulina*) que se encontraron enfermas o abandonadas en la orilla en la costa este del Reino Unido, sin relación alguna entre unos casos y otros, en el verano de 2012. Las autopsias revelaron lesiones de abscesos en el cuello, pleuresía y piotorax en una foca, y onfalitis y peritonitis en la segunda. La tercera foca presentaba una ruptura del glóbulo ocular pero sobrevivió. Kpp se recuperó de los hisopos de las lesiones: se identificó el tipo de secuencia (TS) 398 en una foca y el TS11 en las otras dos, y las tres aisladas mostraron resistencia a muchos antibióticos en pruebas de susceptibilidad de microdilución en caldo. Se encontró un cuarto caso similar en 2017, por lo que se sugiere que el Kpp resistente a antibióticos constituye un problema latente en focas del Reino Unido. El TS11 representa una copia epidémica del Kpp que se registró en todo el mundo en el hombre, a menudo con β -lactamasa de amplio espectro (BLAE) o, más recientemente, con resistencia a las carbapenemasas. Los patrones de resistencia y el tipo molecular de las cepas aisladas de Kpp sugieren que la contaminación marina microbiana de origen humano, posiblemente de las aguas residuales, puede encontrarse en el origen de estas infecciones en focas jóvenes. El *Klebsiella pneumoniae* es un patógeno nosocomial común en los humanos que causa infecciones urinarias, respiratorias o generalizadas. Se considera el tracto gastrointestinal de los pacientes uno de los principales reservorios del organismo en los casos de infección en humanos. El *Klebsiella pneumoniae* en la asistencia sanitaria en humanos desarrolló una resistencia incrementada a los antimicrobianos.

Enfermedades no infecciosas: como en años anteriores, se detectó envenenamiento por endosulfán (oficialmente fuera del mercado) como agente más generalizado relacionado con el envenenamiento ilegal del lobo (*Canis lupus*) en Italia. También se registraron otros casos de envenenamiento de fauna silvestre con diferentes componentes tóxicos, entre los que se incluyen aves y mamíferos en Suiza.

Un estudio en el Reino Unido sobre ahogamiento de aves marinas debido a su captura accidental en los aparejos de pesca, mostró que las aves ahogadas presentaban sistemáticamente una serie de lesiones evidentes. Combinada con observaciones contemporáneas, la patología puede ser suficiente para permitir un diagnóstico de ahogamiento, especialmente al examinar una serie de aves que habían muerto recientemente. Los resultados de este estudio son posiblemente de gran valor cuando se investiguen las incidencias por varamiento, particularmente cuando exista la sospecha de que no se está cumpliendo la legislación relativa a la protección de las aves marinas.

Enfermedad edema: un nuevo brote de enfermedad por edema se detectó en jabalíes silvestres en el departamento francés de los Pirineos Orientales, sudoeste de Francia. Comenzó en septiembre de 2016 y, según las primeras estimaciones, se observaron alrededor de 75 jabalíes silvestres muertos o enfermos (*Sus scrofa*). El serotipo identificado fue el E. Coli O139K82, al igual que el otro caso notificado en el departamento de Ardèche en el primer brote registrado en 2013.

Otras enfermedades infecciosas: como cada año, se diagnosticaron en Francia casos de brucelosis (*Brucella suis*) en la liebre europea (*Lepus europeus*), paramixovirosis en tortola turca (*Streptopelia decaocto*), botulismo en aves acuáticas, mixomatosis en conejos silvestres (*Oryctolagus cuniculus*) y paratuberculosis. En Suiza, se diagnosticaron enfermedades recurrentes en 2017 entre las que se incluyen toxoplasmosis y leptospirosis en el castor europeo (*Castor fiber*), moquillo y sarna sarcóptica en el zorro rojo (*Vulpes Vulpes*), salmonelosis, tricomonosis y viruela en aves paseriformes, infecciones por paramixovirus en colúmbidas y queratoconjuntivitis infecciosa (QCI, *Mycoplasma conjunctivae*) en íbice (*Capra Ibex*) y gamuza (*Rupicapra* spp.). Se han registrado brotes limitados de QCI en gamuzas e íbices en Italia. Otras observaciones realizadas en Italia incluyen los primeros casos de sarna sarcóptica y dirofilaria en lobos libres (*Canis lupus*) en el norte de los Apeninos.

Herpesvirus ránido 3: se observó una mortalidad anormal y/o lesiones cutáneas en ranas comunes (*Rana temporaria*) y sapos comunes (*Bufo bufo*) en estanques de al menos tres lugares diferentes de Suiza en mayo de 2017. Se relacionaron estas lesiones con la presencia de herpesvirus, incluido el recientemente descrito herpesvirus ránido 3 (HVR3), un candidato del género Batrachovirus de la familia Alloherpesviridae. La infección por HVR3 en ranas comunes silvestres se asoció con lesiones cutáneas severas y multifocales con inclusiones asociadas intranucleares. La enfermedad cutánea asociada al RHV3 presenta unas características similares a las de una reconocida afección en ranas europeas en los últimos 20 años y a aquellas todavía imprecisas.

Rhabdovirus en murciélagos: a finales de 2016, un nuevo rhabdovirus (perteneciente al género Ledantevirus) se detectó en murciélagos (*Pipistrellus kuhlii*) en Italia. Este hallazgo probablemente representa (junto lyssaviruses) el único rhabdovirus transmitido a murciélago aislado en Europa. Nuevas investigaciones realizadas por PCR en 2017 permitieron identificar un segundo caso.

Se encontró Lyssavirus de los murciélagos europeos (LVME) 2 en murciélagos ribereños (*Myotis daubentonii*) en dos ocasiones ya en el siglo XXI (2009 y 2016), ambos casos cercanos a la costa suroeste de Finlandia. Se encontró un lyssavirus que no era de ninguno de los LVME comunes (1 o 2) en un murciélago bigotudo (*Myotis mystacinus*) muerto en la región oriental de Finlandia en agosto de 2017. Parece ser que es un virus de nueva especie, anteriormente no descrito. Se están llevando a cabo nuevos estudios sobre este virus.

Otro virus recientemente detectado en murciélagos es el lyssavirus Bokeloh de murciélago que se encontró en un murciélago común (*Pipistrellus pipistrellus*). Este hallazgo es particularmente importante ya que el murciélago común es una especie de murciélago muy extendida en Europa, es una de las especies de murciélagos más comunes en gran parte de su territorio y las personas los encuentran a menudo enfermos o muertos. Hasta la actualidad, no se ha encontrado ningún caso positivo de lyssavirus en Europa.

Micosis de la serpiente: la micosis de la serpiente es una enfermedad emergente que afecta la conservación de la especie en el este de América del Norte. El hongo *Ophidiomyces ophiodiicola*, agente causante de la micosis de la serpiente, fue aislado en serpientes cautivas de fuera de América del Norte y se detectó en cadáveres y en pieles de muda de serpientes en libertad recogidas desde 2010 a 2016 en Gran Bretaña y en la República Checa. Se encontró el hongo en 26 (8,6 %) especímenes durante el periodo de toma de muestras, entre los que se incluían principalmente una culebra de collar (*Natrix natrix*) y una víbora común europea (*Vipera berus*) en el Reino Unido además de una serpiente de los dados (*Natri tessellata*) en la República Checa. Análisis histopatológicos, PCR y cultivo confirmaron que tanto el hongo *O. ophiodiicola* como la micosis de la serpiente estaban presentes en serpientes europeas silvestres. Aunque en la mayoría de los casos las lesiones cutáneas eran leves, en ciertos individuos eran severas y probablemente habían contribuido a la mortalidad. Las cepas europeas se desarrollaron más lentamente que las de Estados Unidos y se demostró que pertenecían a un clado distinto al de las cepas examinadas de América del Norte. Estas diferencias genéticas y fenotípicas indican que las cepas europeas representan cepas nuevas del *O. ophiodiicola*. Se requiere un nuevo trabajo de investigación para valorar el nivel de impacto individual y en la población de este patógeno en Europa.

Suttonella ornithocola en carboneros (Páridos): varios eventos de mortalidad a pequeña escala en herrerillos comunes (*Cyanistes caeruleus*) se observaron en lugares donde se alimentan las aves en marzo y abril de 2017 en Finlandia. Se recibieron muestras de herrerillos comunes y un carbonero garrapinos (*Periparus ater*) de tres lugares diferentes. Todas las aves examinadas se encontraban en malas condiciones, además se descubrió que presentaban pulmones oscuros y con edema. La histología reveló focos necróticos en el pulmón con presencia de bacterias gramnegativas; la bacteria *Suttonella ornithocola* se aisló mediante cultivo. Este organismo con forma de vara gramnegativo se había encontrado previamente en herrerillos comunes en el Reino Unido, carboneros garrapinos, carboneros comunes (*Parus major*) y en mitos (*Aegithalos caudatus*); la incidencia temporal notificada y los hallazgos patológicos en aves del Reino Unido fueron similares a los observados en Finlandia.

Tularemia: en un estudio llevado a cabo en Suecia, se notificaron anticuerpos contra *Francisella tularensis* por primera vez en predadores y carroñeros de este país; se describieron lesiones de tularemia crónica en la liebre común europea (*Lepus europeus*) y casos más graves en ratones leonados (*Apodemus flavicollis*). Como cada año, se diagnosticaron casos de tularemia en liebres comunes en Francia. Además, se observó por primera vez tularemia en una ardilla roja (*Sciurus vulgaris*) en Suiza.

Virus Usutu: en 2017, el virus Usutu volvió a causar una gran mortalidad en el mirlo común (*Turdus merula*) e infectó también otras especies de aves silvestres en diferentes países. En Suiza, se notificó un incremento de la mortalidad en aves silvestres durante los meses de verano; la infección por virus Usutu se confirmó en algunos mirlos comunes encontrados en agosto, el resto de aves murió a consecuencia de otras causas. En septiembre de 2017, se registró una importante mortalidad de mirlos comunes en los Países Bajos, gracias al proyecto de colaboración entre el Centro Holandés para la Sanidad de la Fauna Silvestre y otras instituciones, se detectaron 23 mirlos comunes positivos para virus Usutu. Asimismo, estudios serológicos mostraron que el virus Usutu circula entre las fochas comunes (*Fulica atra*) en los Países Bajos. En Francia, también se detectó el virus Usutu, se observó mortalidad asociada con el virus Usutu únicamente en mirlos. En 2016 y 2017 se encontró virus Usutu en dos departamentos franceses en los que ya se había detectado anteriormente (departamentos del Alto Rin y del Ródano), y por primera vez en otros tres departamentos: Mosela (noreste de Francia), Alta Viena (oeste) y Loira (centro). En estos tres departamentos con aparición reciente del virus Usutu, las cepas de virus Usutu mostraron un 98-99 % de homología en sus secuencias con la cepa alemana. En Italia, se registró con frecuencia virus Usutu en los últimos años en el marco de un programa de vigilancia del virus del Nilo Occidental. Las secuencias detectadas pertenecen a dos grupos, uno circulando principalmente en la región noroeste de la zona de vigilancia y el otro en la región sudeste. Se cree que este patrón es el resultado de diferentes rutas de introducción desde el norte (por los Alpes) y desde el este, respectivamente.

AMÉRICA DEL NORTE

Caquexia crónica: la caquexia crónica parece estar propagándose lentamente en Canadá desde su centro de expansión en Saskatchewan y Alberta. No se señalaron mayores extensiones de propagación de esta enfermedad en 2017.

En los Estados Unidos, desde el 14 de diciembre de 2017, se encontró caquexia crónica en cérvidos silvestres en 22 estados, en cérvidos cautivos en 16 estados y en cérvidos cautivos y/o silvestres en 24 estados. La caquexia crónica fue recientemente confirmada por primera vez en ciervo mulo silvestre (*Odocoileus hemionus*) en Montana. Focos de caquexia crónica sin controlar en cérvidos silvestres se propagan geográficamente mientras se incrementaba su prevalencia. Las repercusiones negativas en las poblaciones de venado de cola blanca (*Odocoileus virginianus*), ciervo mulo y wapatí (*Cervus canadensis*) quedaron explicitadas en la literatura científica evaluada por expertos. De momento, la gestión de la caquexia crónica en ciervos silvestres ha tenido poco éxito. En Illinois y en la región de Colorado, el sacrificio específico y constante por parte de los francotiradores parece haber mantenido una baja prevalencia y la propagación lenta en el área afectada.

Entre los cérvidos en cautiverio, se encontró caquexia crónica en 90 rebaños en Estados Unidos desde 1997. Del 1 de octubre de 2016 al 30 de septiembre de 2017, se detectó caquexia crónica en ocho rebaños de cérvidos en cautiverio, se determinó que en dos de los rebaños el riesgo de existencia de caquexia crónica era bajo. Desde el 1 de octubre de 2017, se detectó caquexia crónica en cinco rebaños más de venados en cautiverio, tres de los cuales fueron considerados de bajo riesgo.

En septiembre de 2017, investigadores junto con el Servicio de Investigación Agrícola (USDA, por sus siglas en inglés), el instituto Oak Ridge para la Educación y la Ciencia, y la Universidad Estatal de Iowa publicaron los resultados de un ensayo en el cual se inocularon intracerebralmente cerdos domésticos (*Sus scrofa*) de dos meses u oralmente con el agente de la caquexia crónica. Se practicó la eutanasia de los cerdos cuando tenían ocho meses de edad (de peso típico) o seis años postinoculación y se analizó la presencia de priones de caquexia crónica mediante varios métodos. Los autores resumieron los resultados del estudio: “Se detectó proteína priónica (PrP^{Sc}) asociada con la enfermedad en el cerebro y en tejidos linfáticos (...) desde los 8 meses de edad (6 meses postinoculación). Únicamente un cerdo desarrolló signos clínicos neurológicos que sugieren enfermedad priónica. La cantidad de PrP^{Sc} en los cerebros y tejidos linfáticos de los cerdos positivos era pequeña, especialmente en los cerdos inoculados oralmente. De todos modos, los resultados positivos en cerdo inoculados oralmente sugieren que los porcinos podrían servir de reservorio para la enfermedad priónica en condiciones naturales”.

Los resultados de este estudio han aumentado las inquietudes sobre el potencial de los cerdos silvestres a agravar la epidemiología y gestión de la caquexia crónica en las poblaciones de cérvidos silvestres así como el potencial de los porcinos para representar una fuente de riesgo de la caquexia crónica a través de animales domésticos y de la cadena alimentaria humana.

Investigadores de Canadá y Alemania presentaron los resultados preliminares de un estudio en el cual inocularon macacos cangrejeros (*Macaca fascicularis*) con el agente de la caquexia crónica de cuatro maneras distintas (intracerebral, oral, transfusión sanguínea y escarificación cutánea). A partir de mayo de 2017, 10 de los 21 macacos habían muerto o habían sido sometidos a eutanasia y los resultados completos de los cinco macacos restantes ya estaban disponibles. Dos macacos que fueron inoculados intracerebralmente con tejido cerebral de ciervo o wapití afectado clínicamente presentaban lesiones microscópicas y coloración inmunohistoquímica positiva en el sistema nervioso central; uno presentaba signos neurológicos antes de la muerte. Un macaco al que se alimentó con tejido cerebral y dos macacos a los que se alimentó con músculo de venado de cola blanca clínicamente normal que dieron positivo para caquexia crónica en las pruebas *ante mortem* desarrollaron enfermedad neurológica y los tres presentaban lesiones microscópicas y coloración inmunohistoquímica positiva en el sistema nervioso central. Los autores prevén publicar los resultados del estudio tras su finalización en 2018.

Las similitudes genéticas entre macacos cangrejeros y humanos han aumentado las inquietudes sobre la posible transmisión de la caquexia crónica a los humanos a través del consumo de cérvidos afectados. Esta posibilidad ha sido un tema de preocupación desde hace muchos años y afortunadamente, la barrera entre especies parece ser fuerte. Sin embargo, las autoridades sanitarias recomiendan evitar la exposición de humanos y animales domésticos a los agentes de la caquexia crónica mientras continúan evaluando los riesgos. Conviene señalar que las pruebas de caquexia crónica disponibles son herramientas para realizar la vigilancia de la enfermedad y que no son pruebas que determinen la seguridad de los alimentos.

Investigadores de Wyoming identificaron la caquexia crónica como factor importante en la disminución de la población regional de ciervo mulo. Se ha llevado a cabo un estudio en una región del estado en la que la caquexia crónica es endémica en el ciervo mulo con una prevalencia inusual que excedía el 20 %. Se capturaron ciervos mulos entre 2010 y 2014, se realizaron las pruebas de caquexia crónica *ante mortem* mediante biopsia de las amígdalas, liberados y controlados por telemetría por radio. Los investigadores detectaron que el índice promedio de supervivencia anual para ciervo positivo en caquexia crónica era de 0,32 comparado con el 0,76 del ciervo negativo en caquexia crónica. No observaron efecto alguno en la gestación o en la selección de cervatos. Los autores estimaron la disminución anual de la población en un 21 % y manejaron un modelo de población que indicó una población estable en ausencia de caquexia crónica. Este estudio se suma al conjunto creciente y desde hace mucho sospechado de evidencia que indican que la caquexia crónica puede significativamente afectar a las poblaciones de cérvidos silvestres. Habida cuenta de la dificultad o de la imposibilidad de erradicar la caquexia crónica con las herramientas y los conocimientos de los que disponemos en la actualidad, los autores: “*la mejor recomendación para controlar esta enfermedad es reducir al máximo su propagación a nuevas áreas y a poblaciones de cérvidos inocentes*”.

Enfermedad linfoproliferativa en pavos silvestres: se ha detectado por primera vez en Canadá un caso clínico causado por el virus de la enfermedad linfoproliferativa (Retroviridae) en un pavo silvestre en la provincia de Quebec. La infección por este virus se propagó entre los pavos silvestres en Canadá y Estados Unidos, aun así los casos clínicos parecen ser escasos.

Gusano barrenador del ganado: el 23 de marzo de 2017, el Servicio de Inspección Fitosanitaria y Veterinaria del Ministerio de Agricultura de los Estados Unidos (USDA, por sus siglas en inglés) anunció la erradicación en los Estados Unidos del gusano barrenador del ganado (*Cochliomyia hominivorax*). La infestación por gusano barrenador del ganado se confirmó en venado del Cayo (*Odocoileus virginianus clavium*) en el Refugio Nacional para Ciervos en Florida el 30 de septiembre de 2016, aunque probablemente se habían producido casos desde julio de 2016. Se confirmó el último caso de gusano barrenador del ganado el 10 de enero de 2017.

La mortalidad confirmada de venado del Cayo asociada al gusano barrenador del ganado ascendió a 135 animales. A parte de esta infestación, sólo se ha documentado otra que se produjo en un mapache. Asimismo, se confirmaron varios casos más en perros y gatos domésticos y dos cerdos domésticos en los Cayos de Florida así como un perro vagabundo en Homestead, en la península de Florida, EEUU.

La erradicación del gusano barrenador del ganado es el resultado de los esfuerzos realizados conjuntamente por el USDA, el Departamento de Agricultura y Servicio al Consumidor de Florida (FDACS, por sus siglas en inglés), el Servicio de Pesca y Vida Silvestre de los Estados Unidos (USFWS, por sus siglas en inglés), la Comisión para la Conservación de la Pesca y la Vida Silvestre de Florida (FWC, por sus siglas en inglés), veterinarios locales, voluntarios del refugio y otros agentes. Un componente crucial para la erradicación fue la suelta de moscas estériles de gusano barrenador: entre 3 y 4 millones aproximadamente de moscas estériles se soltaron dos veces a la semana en los Cayos afectados a principios del mes de octubre de 2016 y también en el área peninsular donde se detectó el caso del perro vagabundo. Se liberaron más de 160 millones de moscas. Se inmovilizaron doce venados del Cayo y se trataron directamente de infestación por gusano barrenador, así como varios animales domésticos. Se llevó a cabo un tratamiento a distancia en un ciervo del Cayo mediante la administración oral de cebos que contenían un componente antiparasitario. Los organismos cooperadores seguirán realizando una vigilancia pasiva del gusano barrenador del ganado.

La incursión del gusano barrenador del ganado en los Cayos de Florida afectó gravemente a la población ya amenazada de venado del Cayo. La estimación de toda la población de esta especie en el verano de 2016 era aproximadamente de 1000 individuos; la mortalidad confirmada de 135 individuos por causas asociadas al gusano barrenador del ganado más un número desconocido de mortalidad por causas indeterminadas sugieren que se ha perdido aproximadamente el 20 % de la población. Si a ello se añaden 171 casos de mortalidad debida a otras causas, puede haberse perdido cerca de 1/3 de la población en 2016. Sin embargo, se espera que se recupere la población sin impactos a largo plazo ya que han sido pocos los venados hembra afectados por el gusano barrenador del ganado. Más del 90 % de los casos documentados se produjeron en venados macho y de ellos más del 90 % presentaban lesiones asociadas al gusano barrenador del ganado en la cabeza, cuello y patas delanteras. Esto es probablemente debido a la lucha y el roce de los cuernos durante el periodo de celo.

Mortalidad en Ballena Franca del Atlántico Norte: en el verano de 2017, 13 Ballenas Francas del Atlántico Norte fueron encontradas muertas en el golfo de San Lorenzo de la costa este de Canadá y cinco más enredadas en cuerdas y redes de pesca comercial. Esta especie se encuentra en peligro de extinción con una población global total de tan solo 458 animales. La zona de alimentación de esta especie en verano se ha trasladado recientemente del golfo de Maine al golfo de San Lorenzo, lugar en el que los animales están más expuestos al tráfico de grandes buques mercantes y a las artes de pesca comercial. De seis ballenas que se llevaron a la orilla para realizarles la autopsia, cuatro habían muerto a consecuencia de un traumatismo agudo y contundente (lo más probable por colisión con los buques), una murió por quedar enredada en las artes de pesca y la sexta se encontraba en estado de descomposición avanzado, por lo que no se pudo determinar la causa de la muerte. Inmediatamente, Canadá tomó medidas para reducir el riesgo de colisión con los barcos y de quedarse enredadas. Esta especie está desapareciendo y la pérdida de 13 adultos reduce las posibilidades de recuperación de la especie.

Enfermedad Hemorrágica Orbivírica: desde el 1 de diciembre de 2017, el *Southeastern Cooperative Wildlife Disease Study* (SCWDS) de la Universidad de Georgia, Estados Unidos, aisló cerca de 150 virus (EHDV-1, -2, & -6) de la enfermedad hemorrágica epizootica y virus de lengua azul (BTV-2, & -3) en 18 estados. Se notificaron algunos brotes en venado de cola blanca en la zona centro y este de los Estados Unidos, y en especial, un brote de EHDV-2 extendido y localmente severo asociado principalmente con la región fisiográfica de la meseta de los Apalaches. A modo de ejemplo, el Departamento de Kentucky de Recursos de Pesca y Vida Silvestre recibió la notificaciones de más de 4500 venados de cola blanca (*Odocoileus virginianus*) muertos o enfermos, la mayoría en la zona oriental del estado. Una vez más, se ha notificado la infestación en bovinos por EHDV en las áreas en las que se había detectado el ciervo silvestre; un descubrimiento que cada vez es más habitual durante los brotes locales de Enfermedad Hemorrágica Orbivírica.

Los datos de este año intensifican aún más la preocupación por la expansión en la zona norte de la Enfermedad Hemorrágica Orbivírica. Por tercera vez en los últimos 11 años, zonas del alto medio oeste y noreste han sufrido brotes importantes de enfermedad hemorrágica orbivírica. Este año, se han aislado virus de la enfermedad hemorrágica orbivírica de distintos estados del norte y las cepas del EHDV-6 de un venado de cola blanca de Connecticut han confirmado la existencia de varios virus de la enfermedad hemorrágica orbivírica en el estado. Además, la canadiense Wildlife Health Cooperative y la Agencia Canadiense para la Inspección de la Alimentación confirmaron la infección por EHDV-2 en un venado de cola blanca en el sur de Ontario, el primero en esta región. Estos datos ponen de relieve la necesidad que existe de entender mejor las causas potenciales así como el impacto en las poblaciones de venado silvestre de la expansión en la zona norte de la enfermedad hemorrágica.

Es interesante señalar que desde que se detectó por primera vez en 2006, todos los años se aísla el EHDV-6. Además de en Connecticut, en 2017 se ha detectado por primera vez el EHDV-6 en Alabama, Pensilvania y en el este de Virginia. En cuanto a los virus exóticos de la enfermedad hemorrágica, se aislaron el BTV-2 y el BTV-3 de ciervo de cola blanca en Luisiana y Alabama, respectivamente. Este ha sido el segundo año consecutivo que el BTV-2 ha sido aislado en Luisiana y la primera vez que se ha detectado el BTV-3 en Alabama. El aumento en la detección de serotipos BTV atípicos en áreas endémicas de enfermedad hemorrágica de los Estados Unidos continúa siendo preocupante. Muchas agencias estatales para la vida silvestre están trabajando en la recopilación de datos para describir mejor los impactos generados por el brote de este año.

Mortalidad masiva de ranas asociada a Perkinsea: en una revisión retrospectiva de eventos de mortalidad de anuros entre los años 1999 y 2015 en los Estados Unidos, se identificó un protista perteneciente al phylum Perkinsea como causa importante de mortalidad. Infecciones sistemáticas por Perkinsea provocaron la disfunción de varios órganos y la muerte en numerosas especies de anuros en un área geográfica extensa. 19 hígados de los 19 renacuajos afectados se examinaron mediante PCR y dieron positivo para el Grupo Novel Alveolado 01 (NAG01) de Perkinsea, mientras que únicamente 2/81 (2,5 %) de los hígados de renacuajo normales histológicamente examinados dieron positivo (2/81), lo que sugiere que las infecciones subclínicas no son habituales. Análisis filogenéticos demostraron que el protista está asociado con el clado distinto filogenéticamente de Perkinsea NAG01. Estos datos sugieren que el virulento clado Perkinsea es un patógeno importante en ranas en los Estados Unidos y puede ser la tercera enfermedad infecciosa más habitual de ranas después del ranavirus y el chytridiomycosis.

Infección por *Trichomonas* en pájaros cantores: la incidencia de la enfermedad clínica, a menudo fatal, causada por *Trichomonas* sp. en pájaros cantores de la familia del pinzón (Fringillidae) fue muy alta en el este de Canadá en el verano de 2017, especialmente en el jilguero (*Spinus triptus*), camachuelo mexicano (*Haemorhous mexicanus*), camachuelo purpúreo (*Haemorhous purpureus*) y jilguero de los pinos (*Spinus pinus*). Desde que se sospechó que los comederos para pájaros pueden ser centros de transmisión entre las aves, grupos gubernamentales y no gubernamentales lanzaron importantes campañas de información para pedir a la comunidad que se cerraran los comederos para pájaros hasta el final del mes de octubre. No hay datos cuantitativos disponibles sobre su seguimiento pero el público que alimentaba a los pájaros, los proveedores de alimento y los alimentadores parece que recibieron toda la información a mediados del verano y cumplieron su deseo de reducir el impacto de la enfermedad.

Virus del Nilo Occidental: un número excepcionalmente elevado de pájaros silvestres muertos, la mayoría aves rapaces, se encontraron infectados por el virus del Nilo Occidental en la provincia de Quebec en el verano de 2017. Pese a que no existe un programa de vigilancia extensiva especial para el virus del Nilo occidental en pájaros silvestres en Canadá, el virus se identificó en pájaros incluidos en el programa general de vigilancia de enfermedades de animales silvestres en Canadá (Canadian Wildlife Health Cooperative).

7. Caquexia crónica en Escandinavia

Desde los primeros casos detectados de caquexia crónica en Noruega en el 2016, el país ha sometido a muestreo y analizado alrededor de 31 000 renos salvajes (*Rangifer tarandus tarandus*), ciervos rojos (*Cervus elaphus atlanticus*), corzos (*Capreolus capreolus*) y alces (*Alces alces*). Para el 1 de diciembre de 2017, la caquexia crónica se había detectado en 9 renos salvajes, tres alces y un reno rojo.

Noruega ha implementado un plan de sacrificio destinado a destruir todos los 2500 renos salvajes en la zona montañosa de Nordfjella hasta el 1 de mayo de 2018. El plan para la erradicación de la caquexia crónica incluye un periodo de al menos cinco años tras la retirada del último reno salvaje hasta el comienzo del proceso de repoblación. La vigilancia en 2018 incluirá esfuerzos para lograr encontrar posibles poblaciones sanas de donantes con genética favorable para la repoblación. Desde 2016, todos los cérvidos objeto de necropsia en el marco del programa nacional de vigilancia general de la vida silvestre fueron sometidos a la prueba de caquexia crónica.

Asimismo, desde que se encontraron los tres alces positivos para caquexia crónica en Noruega no lejos de la frontera con Suecia en 2017, se comenzó una primera fase de vigilancia específica en la comarca sueca de Jämtland en el otro extremo de la frontera, con el propósito de analizar todos los alces adultos cazados.

La Directiva Europea para la vigilancia de la caquexia crónica entre 2018 y 2020 ha establecido un nivel mínimo de 6000 cérvidos (3000 ciervos silvestres o semidomesticados y 3000 ciervos en cautividad) que deben ser analizados en un periodo de 3 años por todos los miembros de la Unión Europea con alces, venados de cola blanca (*Odocoileus virginianus*) o renos (Suecia, Finlandia, Estonia, Letonia, Lituania y Polonia). Abatidos o enfermos, los cérvidos sometidos a eutanasia, así como los cérvidos atropellados deben de ser analizados, a excepción de los gamos.

8. Actualización sobre la mortalidad masiva de antílopes Saigas en Kazajistán y Mongolia

El Grupo de Trabajo analizó los importantes episodios de mortalidad masiva de antílopes Saiga (*Saiga t. tatarica*) en Kazajistán en el 2015 y de antílope Saiga (*Saiga t. mongolica*), íbice (*Capra siberica hagenbecki*), gacela persa (*Gazella subgutturosa*), baral (*Pseudois nayaur*) y pequeños rumiantes domésticos en Mongolia en el año 2017.

En Kazajistán, desde el brote de 2015 no se ha observado más mortalidad masiva. Los informes de campo del 2017 indican que parece que se está recuperando la población (> 50 000 Central, > 70 000 Ural, ~ 2000 Ustyurt y ~ 2000 Kalmukia). Se colocaron radiocollares para el seguimiento a alrededor de 50 individuos en las dos poblaciones importantes con el fin de ayudar en los futuros estudios. Varios artículos relacionados con los episodios de mortalidad y el descubrimiento de *Pasteurella multocida* ya se encuentran en los medios de comunicación o en revisión.

En Mongolia, durante el brote de 2017 de Peste de los Pequeños Rumiantes (PPR), se vieron afectados antílopes Saiga, íbice, gacela persa y baral. Esto ocurrió durante una campaña de vacunación de PPR en pequeños rumiantes que no cubrió completamente toda la ganadería en la zona afectada del país. Se estima que la mortalidad del antílope Saiga alcanza el 55 % de toda la población y durante el verano se observaron muy pocas crías de ese año. La alta mortalidad contrasta con lo observado en las gacelas en África. En noviembre de 2017, tuvo lugar una reunión en el marco de trabajo mundial para el control progresivo de las enfermedades transfronterizas de animales. En la actualidad, no existe evidencia alguna de la transmisión mediante fómites en los brotes en los animales silvestres ni de la transmisión por buitres (el virus es lábil y no infecta a las aves). Se tiende a suponer que la transmisión se produce por la contaminación de los pastos y la transmisión, como ocurrió en África, pero los antílopes Saiga presentan pautas de pastoreo muy diferentes por lo que posiblemente la transmisión ocurriría en las fuentes de agua comunes, los comederos del ganado o en otras zonas de alimentación. No existe evidencia para sustentar la utilidad del sacrificio de animales silvestre en esta situación.

9. Actualización de la peste porcina africana en Europa

La Peste Porcina Africana surgió en Georgia en 2007, desde allí se extendió a los estados vecinos de Armenia, Azerbaiyán y a la Federación de Rusia. En 2012 y 2013, Ucrania y Bielorrusia también notificaron la existencia en sus países de peste porcina africana. En 2014, la peste porcina africana llegó a la Unión Europea donde se confirmaron brotes en Lituania, Letonia, Estonia y Polonia. Se siguen detectando brotes en estos países principalmente en jabalíes (*Sus scrofa*), aunque de manera ocasional también en cerdos domésticos. En octubre de 2016, se detectaron los primeros casos de peste porcina africana en Moldavia. En 2017, el número de casos de peste porcina africana notificados en jabalíes silvestres y cerdos domésticos en Europa se había incrementado aún más y la enfermedad había avanzado hacia el oeste con nuevos focos lejos del origen de la epidemia. En junio de 2017, la peste porcina africana se detectó por primera vez en la República Checa en jabalíes muertos, alrededor de 400 km de los casos más cercanos conocidos; hasta octubre más de 100 nuevos casos fueron detectados. También se detectaron brotes de peste porcina africana en cerdos domésticos de dos pequeñas granjas de Rumania en julio pero parece que se controlaron. El origen de estos dos brotes se debió probablemente a la introducción de jamón crudo contaminado en Rumania por los trabajadores ucranianos del hospital local. La peste porcina africana ha dado también un gran salto hasta Polonia, donde se detectaron nuevos focos en jabalíes silvestres en noviembre, a 100 km al oeste del frente de la epidemia.

Las actividades humanas y los desplazamientos junto con la falta de bioseguridad parecen desempeñar un papel determinante en la propagación de la peste porcina africana hacia el este de Europa. Asimismo, el virus ahora parece que se mantiene en los animales salvajes y se propaga en las poblaciones de jabalíes silvestres. El contagio del virus de la peste porcina africana parece ser más bajo de lo esperado, lo que explica posiblemente porque la expansión geográfica de la enfermedad en jabalíes silvestres ha sido más lenta de lo previsto anteriormente. Sin embargo, la capacidad de resistencia a largo plazo del virus de la peste porcina africana en el entorno (incluidos los cadáveres), especialmente en las frías condiciones invernales, se considera un factor clave para su resistencia en la vida salvaje. Como medidas para controlar la propagación de la enfermedad se ha propuesto la retirada rápida de los jabalíes silvestres muertos y el control de la población, si bien no se espera que estas medidas sean lo suficientemente efectivas en la práctica por su limitada aplicación a consecuencia de las condiciones del terreno. Otra preocupación es la detección de jabalíes silvestre positivos en anticuerpos, lo que sugiere que ciertos individuos sobreviven a la infección inicial y pueden actuar como portadores del virus. En líneas generales, la peste porcina africana continúa expandiendo su radio de acción en Europa Oriental y los factores humanos en la propagación de la enfermedad hacen imposible predecir dónde se producirán los siguientes casos.

10. Actualización sobre *Batrachochytrium salamandrivorans* en salamandras

El Grupo de Trabajo informó sobre la inclusión de *Batrachochytrium salamandrivorans* en 2017 en la lista de la OIE y aplaudió la decisión de la Asamblea Mundial de Delegados de incluir el *B. salamandrivorans* en la lista y suprimirlo de la lista de las enfermedades que no figuran en la lista de la OIE de la fauna silvestre utilizada para las notificaciones voluntarias.

A la reciente llegada del *B. salamandrivorans* a Europa le siguió su rápida expansión geográfica y la gama de hospedadores confirmando la amenaza sin precedentes que este hongo chytrid supone para los anfibios paleárticos occidentales. El seguimiento de la infección, la enfermedad y las dinámicas de la población hospedadora en una población belga de salamandras de fuego (*Salamandra salamandra*) durante dos años reveló que la llegada del hongo chytrid está asociada con la fuerte y rápida disminución de la población sin signos de recuperación hasta la fecha, en gran parte debido a la falta de una mayor resistencia de las salamandras supervivientes y a un cambio demográfico que impide la compensación de la mortalidad. Se ha mostrado que el patógeno adopta una estrategia de doble transmisión con esporas medioambientalmente resistentes no móviles junto a esporas móviles identificadas en *B. dendrobatidis*. El hongo no solo conserva su virulencia en agua y aceite, sino también en anuros y especies de urodelos menos susceptibles que funcionan como reservorios de patógenos. Esta combinación de características de la enfermedad sugiere, ecológicamente hablando, que un incremento en la propagación de este hongo podría extinguir rápidamente las poblaciones de salamandras muy susceptibles de toda Europa. Los expertos recomiendan desarrollar un sistema de alertas tempranas en toda Europa para controlar el avance de este hongo invasivo y reforzar los planes de acción de emergencia que permiten la implementación rápida de la conservación *in situ* en especies de urodelos amenazadas en la actualidad.

11. Influenza aviar: actualización de la OFFLU sobre la vigilancia de las aves silvestres

El Dr. Gounalan Pavade informó al Grupo de Trabajo sobre la situación de la nota de la actividad técnica de aves silvestres de la OFFLU para la vigilancia de la influenza aviar en aves silvestres. La nota se presentó en la Reunión Conjunta de los Jefes de los Servicios Veterinarios y Jefes de los Servicios Médicos sobre las disposiciones de la Influenza en el Contexto de Salud Única que tuvo lugar del 23 al 24 de octubre de 2017. Los miembros del Grupo de Trabajo tomaron nota de la presentación.

12. La rabia y su impacto en la biodiversidad

Los miembros del Grupo de Trabajo redactaron un documento sobre la rabia y su impacto en la biodiversidad que ya se encuentra preparado para considerar su publicación en la Revista Científica y Técnica de la OIE.

13. Acuerdo de colaboración sobre la Gestión Sostenible de la Vida Silvestre: actualización sobre las hojas informativas y otras actividades

El Acuerdo de Colaboración sobre la Gestión Sostenible de la Vida Silvestre es un acuerdo voluntario de 14 organizaciones internacionales con mandatos y programas para promover el uso sostenible y la conservación de los recursos de la vida silvestre. La OIE ha sido miembro de esta organización desde su comienzo. El Acuerdo de Colaboración sobre la Gestión Sostenible de la Vida Silvestre se reúne periódicamente, a menudo junto con otras reuniones como CITES, CBD y CMS. Ha realizado varias fichas informativas sobre diferentes temas relacionados con la gestión de la vida silvestre incluida una ficha sobre La Sanidad de la Fauna Silvestre. La OIE ha participado en la producción de estas fichas técnicas y se ha asegurado de que los problemas de sanidad de la vida silvestre y las enfermedades no se pasan por alto. El Acuerdo de Colaboración sobre la Gestión Sostenible de la Vida Silvestre presentará un nuevo plan de trabajo para realizarlo durante los próximos años. En la reunión del Grupo de Trabajo, se discutió sobre el trabajo en el Acuerdo de Colaboración sobre la Gestión Sostenible de la Vida Silvestre y el papel de la OIE. Torsten Mörner aceptó ser la persona de contacto para la OIE.

14. Actualización sobre el Consejo internacional de la caza y la conservación de la fauna, y el proyecto conjunto de la OIE

La OIE está colaborando con el Consejo internacional de la caza y la conservación de la fauna (CIC, por sus siglas en inglés), la Federación Europea de las Asociaciones de Caza (FACE, por sus siglas en francés) y el Estado de Bulgaria para organizar una conferencia en Bulgaria en diciembre de 2017 con el fin de presentar un programa didáctico para los cazadores en relación con la vigilancia de las enfermedades de la fauna silvestre, haciendo especial hincapié en la peste porcina africana. Este curso formativo está financiado por ayudas de la Unión

Europea y el estado de Bulgaria. El curso contará con la presencia de alrededor de 20 representantes de las asociaciones de caza y 10 Puntos Focales nacionales de la OIE con un total de alrededor de 40 participantes. El programa recogerá todos los aspectos de la vigilancia de las enfermedades de la fauna silvestre, epidemiología, bioseguridad, peste porcina africana y comunicación entre la comunidad de cazadores y las autoridades veterinarias a nivel nacional e internacional.

15. Actualización sobre Iniciativas para enfermedades importantes para la fauna silvestre o para la biodiversidad y su puesta en marcha a nivel mundial y regional

Se informó al Grupo de Trabajo de que la OIE desea incrementar su participación en actividades de colaboración pertinentes para sus mandatos con otras organizaciones internacionales centradas en el medio ambiente y la conservación de la biodiversidad. Algunas de ellas son la Unión Internacional para la Conservación de la Naturaleza, la Convención sobre Diversidad Biológica, la Convención sobre Comercio Internacional de Especies Amenazadas de la Fauna y la Flora Silvestre, el Centro Internacional para la Agricultura y Biociencia, la Organización Mundial de Aduanas y la Organización Internacional Marítima.

La OIE ha acudido recientemente a dos reuniones convocadas por algunas de estas organizaciones y comienza a formar parte de esta red para ofrecer una mejor aportación y definir su papel en temas relacionados con el impacto del cambio climático en la sanidad animal y la conservación de la biodiversidad. El Grupo de Trabajo considera esto una excelente iniciativa de la OIE y subrayó que los esfuerzos del Grupo de Trabajo contarán con el respaldo de estos fuertes vínculos y que los miembros del Grupo pueden prestar su apoyo y ayuda a la OIE en estas relaciones.

16. Informe anual de los centros colaboradores de la OIE para la fauna silvestre

Centro Colaborador para la Investigación, el Diagnóstico y la Vigilancia de agentes patógenos de la fauna silvestre (Canadá/EEUU): Se examinó el informe anual de 2016 que había sido enviado a la OIE.

Centro Colaborador para la Formación en gestión y sanidad animal de animales de cría y silvestres (Sudáfrica): Se examinó el informe anual de 2016 que había sido enviado a la OIE.

El Grupo de Trabajo tomó nota de que ambos centros colaboradores realizaron numerosas actividades para atender las necesidades de los Países Miembros de la OIE y para apoyar los programas de la OIE.

17. Formación de los Puntos Focales nacionales de la OIE para la fauna salvaje

El Dr. François Diaz, del Departamento de Ciencia y Nuevas Tecnologías de la OIE, informó al Grupo de Trabajo sobre el exitoso cuarto ciclo de talleres de formación para los puntos focales nacionales de la OIE para la fauna salvaje. Los talleres tuvieron lugar en julio de 2016 en Bielorrusia para Europa, en noviembre de 2016 en Kenia para el África y Oriente Medio de lengua inglesa, en enero de 2017 en Togo para el África francófona, en marzo de 2017 en Paraguay para América y en julio de 2017 en Indonesia para Asia. El cuarto ciclo formativo se centró en la vigilancia de las enfermedades de la fauna silvestre, en particular desde la perspectiva del diagnóstico, y también incluyó información básica sobre la OIE, presentaciones y discusiones sobre los problemas regionales de la sanidad animal e información práctica sobre el uso de *WAHIS-Wild*. El Centro Colaborador para la Investigación, el Diagnóstico y la Vigilancia de agentes patógenos de la fauna silvestre (EEUU y Canadá) presentó la vigilancia de las enfermedades de animales silvestres y preparó un manual didáctico para este segmento del taller.

Además, el Dr. Diaz también informó al Grupo de Trabajo de que el programa del 5º ciclo ya se está desarrollando.

El Grupo de Trabajo manifestó su agradecimiento a la OIE por continuar organizando estos importantes talleres formativos y al Centro Colaborador para la Investigación, el Diagnóstico y la Vigilancia de agentes patógenos de la fauna silvestre por su importante labor realizada en estos talleres. Sugirieron a la OIE incluir más ciencia social relacionada con la vigilancia y la gestión de las enfermedades de la fauna silvestre en el 5º ciclo formativo.

El Dr. Diaz informó al Grupo de Trabajo de que los manuales de formación del primer y segundo ciclos de los talleres formativos para los Puntos focales nacionales de la OIE para la fauna salvaje ya estaban publicados en la página web de la OIE y disponibles en inglés, francés y español. El manual del tercer ciclo de talleres formativos se encuentra disponible en inglés y próximamente lo estará en español y en francés.

18. Conferencias anteriores y futuras/reuniones del Grupo Ad hoc (información de los miembros y de la sede de la OIE)

18.1. 2ª conferencia internacional de la OIE sobre la reducción de la amenaza biológica, Ottawa, Canadá, 31 de octubre- 2 de noviembre de 2017

Habida cuenta de la extensión de las actividades del Grupo de Trabajo para incluir el reconocimiento de la estrecha relación existente entre la utilización de la tierra y las enfermedades emergentes y los problemas de biodiversidad, se describió la labor que la OIE está llevando a cabo actualmente en el área de reducción de la amenaza biológica. Actividades relacionadas con la reducción de la amenaza biológica cobran una especial relevancia para el Grupo de Trabajo para la Fauna Silvestre dado que más del 70 % de las enfermedades infecciosas emergentes tiene su origen en un animal (doméstico o silvestre).

En lo que respecta al esfuerzo específico relacionado con dichas actividades, el Dr. Tianna Brand, Jefe, Departamento de Programas, ofreció un resumen de la 2ª conferencia mundial de la OIE sobre Reducción de la Amenaza Biológica –*Mejorando la sanidad y la seguridad de todos*. En el marco de la conferencia, “Amenazas Biológicas” o “Bioamenazas” encuentran su origen o se agravan aún más a consecuencia de las enfermedades infecciosas de animales (incluida la zoonosis) que pueden surgir a raíz de un desastre natural o provocado por el hombre, de accidentes de laboratorio o como consecuencia de una manipulación o liberación intencionada de patógenos.

En su explicación, apuntó que la conferencia suponía la oportunidad para continuar promoviendo la sensibilización en los mecanismos internacionales relacionados para reducir las amenazas biológicas, tales como la Convención sobre Armas Biológicas y la Resolución 1540 del Consejo de Seguridad de la ONU, pero también para resaltar proyectos en los que la sanidad animal, la sanidad pública junto con los sectores de aplicación y seguridad han contribuido globalmente a reducir la amenaza biológica. Así, se estudiaron cuatro temas: desarrollos en instrumentos de no proliferación e iniciativas de seguridad a nivel mundial; fomento del desarrollo y la investigación responsables; sistemas de evaluación, inversión en colaboraciones para incentivar la preparación; y, por último, iniciativas actuales para gestionar las amenazas biológicas como por ejemplo la resiliencia de los hospedadores, avances en tecnologías para las vacunas así como el Proyecto Víroma Global.

18.2. Grupo Ad hoc sobre el Transporte de Materiales Biológicos, sede de la OIE, 17-19 de julio de 2017

Un miembro del Grupo de Trabajo tomó parte en el Grupo *ad hoc* sobre transporte de materiales biológicos. El Grupo de Trabajo revisó el informe y analizó el proyecto de capítulo. El Grupo de Trabajo consideró el proyecto de capítulo práctico y útil.

18.3. Grupo *ad hoc* sobre métodos de sacrificio de reptiles comercializados por su piel, como alimentación o para otros productos, reunión por videoconferencia, agosto de 2017

Se invitó al Departamento de Normas de la OIE a que informara sobre su trabajo en el desarrollo de las recomendaciones sobre el bienestar de los animales en lo relativo al sacrificio de reptiles por su piel, para la alimentación y para otros productos.

El Dr. Leopoldo Stuardo informó al Grupo de Trabajo de que siguiendo las recomendaciones de la Comisión de Normas Sanitarias para los Animales Terrestres, un Grupo *ad hoc* trabajó mediante videoconferencia a finales de 2016 para desarrollar un capítulo independiente sobre el sacrificio de reptiles para que se incluyera en el *Código Terrestre*. El Dr. Stuardo notificó que, debido a la pesada carga de trabajo de la Comisión del Código durante la reunión de febrero de 2017, la revisión del proyecto de capítulo preparado por el Grupo *ad hoc* se posponía a la reunión del mes de septiembre de 2017. Con el fin de utilizar el tiempo entre las dos reuniones de la Comisión del Código para mejorar el proyecto de capítulo, tuvo lugar una reunión presencial del Grupo *ad hoc* en agosto de 2017, así el proyecto de capítulo revisado que había preparado el Grupo se presentó en la reunión de la Comisión del Código de septiembre de 2017.

Durante la revisión de la Comisión del Código del proyecto de capítulo, se realizaron varias modificaciones, en particular en la formulación del título con el objetivo de simplificarlo.

La Comisión acordó presentar el proyecto de capítulo propuesto para su consideración por los países miembros, estos comentarios se mandarán al Grupo *ad hoc* (vía internet) con el fin de que puedan revisarlos y presentar a la Comisión de Código un nuevo capítulo revisado en la reunión de febrero de 2018.

18.4. Futuro Grupo *ad hoc* para el Grupo de Trabajo sobre la Fauna Salvaje

Se informó al Grupo de Trabajo de que la página web de la OIE disponía ya de una página que detalla los pasados y futuros Grupos *ad hoc* de la OIE. Para los futuros Grupos *ad hoc*, se mencionan las fechas así como la disponibilidad de los términos de referencia. El Grupo de Trabajo revisó la lista actual e identificó el Grupo *ad hoc* sobre tripanosomiasis transmitida por la mosca tsé-tsé. El Grupo de Trabajo sugirió que se incluyera en este Grupo *ad hoc* una persona experta en estos patógenos de la vida salvaje.

19. Asuntos varios

19.1. Proyecto colaborativo de la OIE sobre la mejora de la formación para la vigilancia del virus del Ébola

La Sra. Sophie Muset, directora técnica y coordinadora del proyecto EBO-SURSY (http://www.rr-africa.oie.int/projects/EBOSURSY/fr_index.html), presentó el proyecto al Grupo de Trabajo: un proyecto de cinco años, lanzado en enero de 2017, implementado por la OIE y el Centro de Cooperación Internacional en Investigación Agrónoma para el Desarrollo (CIRAD, por sus siglas en francés), el Instituto de Investigación para el Desarrollo (IRD, por sus siglas en francés) y el Instituto Pasteur (RIIP). El proyecto tiene por finalidad reforzar los sistemas de detección temprana a nivel nacional e internacional en la fauna silvestre en el África central y occidental (10 países) mediante un enfoque multisectorial. Una Salud para detectar, diferenciar y prevenir mejor los futuros brotes de enfermedad por virus del ébola o brotes de otros patógenos zoonóticos emergentes.

Con el fin de alcanzar estos objetivos, el proyecto se centrará en tres áreas principales:

1. Creación de competencias institucionales y de Una Salud mediante la enseñanza y la formación;
2. Contribución a incrementar la sensibilización de las comunidades sobre las enfermedades zoonóticas;
3. Refuerzo de la vigilancia de la enfermedad zoonótica mediante las investigaciones sobre el terreno y mejoradas pruebas de diagnóstico.

La Sra. Muset mencionó que contactaría con el Grupo de Trabajo cuando dispusiera de más información sobre el proyecto.

19.2. Página web de la OIE para la vida silvestre

El Grupo de Trabajo discutió sobre la actual accesibilidad a la información sobre la fauna silvestre en la página web de la OIE. Al estar indexada la página web según la estructura de la OIE, la información sobre la fauna silvestre está disponible en diferentes lugares y puede resultar muy difícil encontrarla. Por lo tanto, el Grupo de Trabajo recomienda a la OIE crear una página web exclusiva para recoger toda la información relacionada con la fauna silvestre, con tantas páginas y vínculos internos como sea necesario, de este modo todos los recursos *on line* relacionados con la fauna silvestre estarían accesibles desde una única página web: manuales de formación, documentos orientativos sobre la valoración del riesgo en la sanidad de la fauna silvestre y sobre la vigilancia de enfermedades, los manuales e informes del Grupo de Trabajo sobre la Fauna Salvaje, un vínculo a WAHIS-*Wild* y recursos similares.

19.3. Métodos de pruebas diagnósticas recomendados en la fauna silvestre

La OIE desea recomendar métodos de diagnóstico para todos los patógenos que se encuentran recogidos en la lista de enfermedades/patógenos de la fauna silvestre que no figuran en la lista de la OIE. El objetivo es orientar a los países para que puedan adoptar el mejor enfoque de diagnóstico y armonizar los métodos de diagnóstico. Actualmente, la OIE no ofrece recomendación alguna sobre los protocolos de diagnóstico para las enfermedades que no figuran en su lista ya que únicamente las enfermedades que figuran en la lista de OIE están incluidas en los manuales de la OIE. Algunos miembros del Grupo de Trabajo comentaron que una serie de hojas informativas con recomendaciones sobre métodos de diagnóstico para enfermedades infecciosas de las especies de la fauna silvestre ya habían sido realizadas por diferentes grupos, tales como las fichas de diagnóstico de la Asociación Europea contra las Enfermedades de la Fauna Silvestre (www.ewda.org), las Fichas Descriptivas sobre Sanidad de la Fauna Silvestre de la Organización Australiana para la Sanidad de la Fauna Silvestre (www.wildlifehealthaustralia.com.au), o las fichas descriptivas del Manual sobre Enfermedades Transmisibles de la Asociación Europea de Zootecnia y Veterinarios de la Fauna Silvestre (www.eazwv.org).

El Grupo de Trabajo se comprometió a buscar recursos *on line* con información fiable sobre métodos de diagnóstico que puedan aplicarse a especímenes de animales salvajes para cada uno de los patógenos que no se encuentran en la lista de la OIE, para los cuales la OIE solicita a los Países Miembros un informe voluntario anual.

20. Programa de trabajo y prioridades para el 2018

El Grupo de Trabajo señaló la siguiente lista de actividades como prioritarias para trabajar en el 2018, acordes con los recientemente propuestos Términos de Referencia. Además de esta lista, el Grupo de Trabajo responderá a las peticiones de la OIE cuando las reciba.

- Consolidar la colaboración con la Comisión de Normas para la Sanidad de los Animales Acuáticos y el personal correspondiente de la OIE en lo referente a la labor del Grupo de Trabajo para apoyar la sanidad de los animales acuáticos.
- Mantener una comunicación fluida y regular con el resto de Comisiones de la OIE para garantizar que el Grupo de Trabajo responda a las necesidades y prioridades nuevas y a las ya existentes de la OIE.
- Estudiar maneras para gestionar los problemas debidos al cambio climático y a la biodiversidad en relación con la sanidad animal, y continuar informando a la OIE sobre los problemas relacionados con la fauna silvestre, entre los que se incluyen las enfermedades emergentes.
- Estudiar maneras de apoyar el compromiso de los Puntos Focales para la fauna salvaje con proyectos importantes, plataformas y conferencias, por ejemplo la agenda mundial para la seguridad sanitaria (GHSA, por sus siglas en inglés) y las plataformas nacionales Una Salud.
- Ayudar a la OIE en su labor de mantener y desarrollar las colaboraciones y actividades con las organizaciones internacionales pertinentes aportando contactos y conocimientos para la participación y representación de la OIE.
- Contribuir a la revisión de la guía tripartita (OIE-FAO-OMS) para las enfermedades zoonóticas.
- Aportar contactos y ayuda a la OIE incorporando la dimensión humana y la ciencia social en los programas de trabajo relacionados con la fauna silvestre.
- Desarrollar un corto resumen de la reunión para que se comparta con los Puntos Focales para la Fauna Salvaje de la OIE y para que sirva de base de comunicación durante el Día Internacional de la Vida Silvestre, el 3 de marzo de 2018.
- Apoyar al departamento WAHIAD para animar a los puntos focales para la fauna salvaje a notificar anualmente las enfermedades de la fauna silvestre que no figuran en la lista de la OIE.
- Recopilar referencias de métodos de diagnóstico para cada patógeno de la lista de enfermedades y patógenos de la fauna silvestre que no figuran en la lista de la OIE.
- Ofrecer apoyo técnico y con base científica de manera extensa a la OIE sobre los problemas de la fauna silvestre, las especies acuáticas y terrestres, y las abejas silvestres.
- Apoyar a la OFFLU en sus esfuerzos para recoger información sobre la vigilancia de los virus de la influenza aviar en la fauna silvestre.
- Apoyar a la OIE en su labor con la Asociación Colaborativa sobre la Gestión Sostenible de la Fauna Silvestre.
- Continuar apoyando los esfuerzos conjuntos de la OIE y el Consejo Internacional de la Caza y Conservación de Vida Silvestre en el desarrollo de recursos formativos para cazadores y en la comunicación entre cazadores y servicios veterinarios.

21. Fecha de la próxima reunión

El Grupo de Trabajo propuso las siguientes fechas para la próxima reunión: del martes 4 al viernes 7 de diciembre de 2018.

22. Aprobación del informe

El informe fue aprobado por el Grupo de Trabajo.

.../Anexos

REUNIÓN DEL GRUPO DE TRABAJO DE LA OIE SOBRE LA FAUNA SILVESTRE
París (Francia), 12 – 15 de diciembre de 2017

Agenda

1. **Introducción**
 2. **Aprobación del orden del día y designación del relator**
 3. **Información proveniente de las reuniones de la Comisión Científica para las Enfermedades de los Animales y de la Comisión del Código Sanitario para los Animales Terrestres**
 4. **Actualización de los Términos de referencia del Grupo de Trabajo para la Fauna Salvaje y debate sobre las futuras actividades del Grupo de Trabajo**
 5. **Notificación de enfermedades**
 - 5.1. Notificación de enfermedades de 2016
 - 5.2. Identificación de los aspectos decisivos
 - 5.3. Propuestas para la mejora de las notificaciones
 - 5.4. Debate sobre las enfermedades de la lista de la OIE bloqueadas para la fauna silvestre y la revisión de la lista de las enfermedades que no figuran en la lista de la OIE
 - 5.5. Aprobación de nuevas especies en WAHIS
 - 5.6. Actualización en WAHIS +
 6. **Incidencias de problemas y enfermedades emergentes dignas de consideración: informes de los miembros del Grupo de Trabajo sobre fauna salvaje**
 7. **Caquexia crónica en Escandinavia**
 8. **Actualización sobre la mortalidad masiva de antílopes Saigas en Kazajistán y Mongolia**
 9. **Actualización de la peste porcina africana en Europa**
 10. **Actualización sobre *Batrachochytrium salamandrivorans* en salamandras**
 11. **Influenza aviar: actualización de la OFFLU sobre la vigilancia de las aves silvestres**
 12. **La rabia y su impacto en la biodiversidad**
 13. **Acuerdo de colaboración sobre la Gestión Sostenible de la Vida Silvestre: actualización sobre las hojas informativas y otras actividades**
 14. **Actualización sobre el Consejo internacional de la caza y la conservación de la fauna, y el proyecto conjunto de la OIE**
 15. **Actualización sobre Iniciativas para enfermedades importantes para la vida silvestre o para la biodiversidad y su puesta en marcha a nivel mundial y regional**
 16. **Informe anual de los centros colaboradores de la OIE para la fauna salvaje**
 17. **Formación de los Puntos focales nacionales de la OIE para la fauna salvaje**
 18. **Conferencias anteriores y futuras/ reuniones del Grupo *Ad hoc* (información de los miembros y de la sede de la OIE)**
 - 18.1. 2ª Conferencia Internacional de la OIE sobre la reducción de la amenaza biológica, Ottawa, Canadá, 31 de octubre- 2 de noviembre de 2017
 - 18.2. Grupo *ad hoc* sobre el Transporte de Materiales Biológicos, sede de la OIE, 17-19 de julio de 2017
 - 18.3. Grupo *ad hoc* sobre métodos de sacrificio de reptiles comercializados por su piel, como alimentación o para otros productos, reunión por videoconferencia, agosto de 2017
 - 18.4. Futuro Grupo *ad hoc* para el Grupo de Trabajo sobre la Fauna Salvaje
 19. **Asuntos varios**
 20. **Programa de trabajo y prioridades para el 2018**
 21. **Fecha de la próxima reunión**
 22. **Aprobación del informe**
-

REUNIÓN DEL GRUPO DE TRABAJO DE LA OIE SOBRE LA FAUNA SILVESTRE

París (Francia), 12 – 15 de diciembre de 2017

Lista de participantes

MIEMBROS

Dr. William B. Karesh (*Presidente*)

Executive Vice President for Health and Policy
EcoHealth Alliance / Wildlife Trust
460 West 34th St., 17th Floor
Nueva York, NY. 10001
EEUU
Tel: (1.212) 380.4463
Fax: (1.212) 380.4465
karesh@ecohealthalliance.org

Prof. F.A. Leighton

Canadian Cooperative Wildlife Health Centre
Department of Veterinary Pathology
University of Saskatchewan
Saskatoon, Saskatchewan S7N 5B4
CANADÁ
Tel: (1.306) 966 7281
Fax: (1.306) 966 7387
ted.leighton@usask.ca

Prof. Koichi Murata

Department of Wildlife Science
College of Bioresource Sciences
Nihon University
1866 Kameino, Fujisawa, Kanagawa 252-8510
JAPÓN
Tel/Fax: +81-466-84-3776
k-murata@brs.nihon-u.ac.jp

Dr. Markus Hofmeyr

(*Invitado pero no puedo acudir*)

Chief Conservation Officer & Veterinarian
Great Plains Conservation & Rhinos Without
Borders
P.O. Box 22127, Boseja, Maun, BOTSUANA
markus@greatplainsconservation.com

Prof. Torsten Mörner

Department for Disease Control and Epidemiology
National Veterinary Institute
751 89 Uppsala
SUECIA
Tel: (46-18) 67 4214
Fax: (46-18) 30 9162
torsten.morner@sva.se

Prof. Marie-Pierre Ryser-Degiorgis

Head of the FIWI Wildlife Group
Centre for Fish and Wildlife Health (FIWI)
Dept. Infectious Diseases and Pathobiology
Vetsuisse Faculty, University of Bern
Postfach, Länggass-Str. 122
CH-3001 Berna
SUIZA
Tel: +41 31 631 24 43
marie-pierre.ryser@vetsuisse.unibe.ch

Prof. John Fischer

Southeastern Cooperative Wildlife Disease Study
College of Veterinary Medicine
Universidad de Georgia
Atenas - GA 30602
EEUU
Tel: (1-706) 542 1741
Fax: (1-706) 542 5865
jfischer@uga.edu

REPRESENTANTE DE LA CCEA

Dr. Juan Antonio Montaña Hirose

Director del Centro Nacional de Servicios de Diagnóstico en Salud Animal
Servicio Nacional de Sanidad, Inocuidad y Calidad Agroalimentaria
Km. 37.5 Carretera México-Pachuca,
Tecámac, Estado de México
MÉXICO
Tel: +52 (55) 59 05 10 00
viro99_1@yahoo.com

SEDE DE LA OIE

Dr. Matthew Stone

Director General Adjunto
m.stone@oie.int

Dr. François Diaz

Comisionado
Departamento de Ciencias y Nuevas Tecnologías
f.diaz@oie.int

Dr. Paolo Tizzani

Veterinario Epidemiólogo
Departamento de Información y Análisis de
Sanidad Animal Mundial
p.tizzani@oie.int

Dra. Elisabeth Erlacher-Vindel

Jefa
Departamento de Ciencias y Nuevas Tecnologías
e.erlacher-vindel@oie.int

Dra. Belén Otero Abad

Veterinaria Epidemióloga
Departamento de Información y Análisis de
Sanidad Animal Mundial
b.otero@oie.int

**Enfermedades que no figuran en la lista de la OIE y afectan a la fauna silvestre
(notificación voluntaria en WAHIS-Wild)**

1. Infección por agente causante de caquexia crónica
2. Infección por virus de baja patogenicidad de influenza aviar (todos los subtipos)
3. Infección por Alcelaphine herpesvirus 1 o Ovine herpesvirus 2 (ñus y ovejas asociado a virus de la fiebre catarral maligna)
4. Infección por paramixovirus aviar (distinto al virus de la enfermedad de Newcastle)
5. Infección por *Babesia* spp. (casos reseñables)
6. Infección por *Baylisascaris procyonis*
7. Infección por *Borrelia* spp.
8. Infección por circovirus
9. Infección por virus de influenza equina (équidos silvestres)
10. Infección por herpesvirus endoteliotrópico de los elefantes
11. Infección por virus de la encefalomiocarditis
12. Infección por Caliciviruses en liebres y conejos (como el virus del síndrome de la liebre europea)
13. Infección por *Fasciola gigantica*
14. Infección por *Fascioloides magna*
15. Infección por virus de la leucemia felina
16. Infección por filovirus
17. Infección por flavivirus (causante encefalomiелitis ovina)
18. Infección por flavivirus (causante de encefalitis transmitida por garrapatas)
19. Infección por flavivirus (causante de fiebre amarilla)
20. Infección por hantavirus
21. Infección por Henipavirus (Hendra virus)
22. Infección por Henipavirus (virus Nipah)
23. Infección por virus de Inmunodeficiencia (felinos, simios)
24. Infección por *Leptospira interrogans* ssp.
25. Infección por *Listeria monocytogenes*
26. Infección por Lyssavirus diferentes a virus de la rabia
27. Infección por morbillivirus (cánidos y felinos)
28. Infección por morbillivirus (mamíferos marinos)
29. Infección por morbillivirus en primates no humanos
30. Infección por morbillivirus en otros grupos taxonómicos de hospedadores
31. Infección por virus de la enfermedad de Newcastle (aves silvestres)
32. Infección por parvovirus
33. Infección por *Pasteurella* spp.
34. Infección por *Plasmodium* spp.
35. Infección por virus de viruela (otros que no figuren en la lista de la OIE)
36. Infección por *Pseudogymnoascus destructans* en murciélagos (síndrome de la nariz blanca)
37. Infección por *Psoroptes* spp.

38. Infección por *Salmonella enterica* (todos los serotipos)
39. Infección por *Sarcoptes scabiei*
40. Infección por *Theileria* spp. (casos reseñables)
41. Infección por *Toxoplasma gondii*
42. Infección por *Trichomonas* spp. en aves y reptiles
43. Infección por *Yersinia enterocolitica*
44. Infección por *Yersinia pestis*
45. Infección por *Yersinia pseudotuberculosis*

Reptiles

46. Infección por virus de la viruela del cocodrilo (Papilomatosis en cocodrilos)
47. Infección por herpesvirus que causa fibropapilomatosis en tortugas marinas
48. Infección por ranavirus
49. Infección por *Trichinella nelsoni*, *zimbabwei* y *papouae*
50. Infección por *Ophidiomyces ophiodiicola* (agente de la micosis de la serpiente)

Enfermedad no infecciosa

51. Toxicosis por algas
52. Botulismo
53. Envenenamiento químico
54. Micotoxicosis

Otros

55. Enfermedades por causa desconocida
 56. Acontecimiento de mortalidad y morbilidad inusual (causa indeterminada)
-

© **Organización Mundial de Sanidad Animal (OIE), 2017**

El presente documento fue preparado por especialistas a solicitud de la OIE. Excepto en el caso de su adopción por la Asamblea mundial de los Delegados de la OIE, lo expresado refleja únicamente las opiniones de dichos especialistas. Este documento no podrá ser reproducido, bajo ninguna forma, sin la autorización previa y por escrito de la OIE.

Todas las publicaciones de la OIE (Organización mundial de sanidad animal) están protegidas por un Copyright internacional. Extractos pueden copiarse, reproducirse, adaptarse o publicarse en publicaciones periódicas, documentos, libros o medios electrónicos, y en cualquier otro medio destinado al público, con intención informativa, didáctica o comercial, siempre y cuando se obtenga previamente una autorización escrita por parte de la OIE.

Las designaciones y nombres utilizados y la presentación de los datos que figuran en esta publicación no constituyen de ningún modo el reflejo de cualquier opinión por parte de la OIE sobre el estatuto legal de los países, territorios, ciudades o zonas ni de sus autoridades, fronteras o limitaciones territoriales.

La responsabilidad de las opiniones profesadas en los artículos firmados incumbe exclusivamente a sus autores. La mención de empresas particulares o de productos manufacturados, sean o no patentados, no implica de ningún modo que éstos se beneficien del apoyo o de la recomendación de la OIE, en comparación con otros similares que no hayan sido mencionados.